

新型コロナウイルス感染症（変異株）への対応



厚生労働省 新型コロナウイルス感染症対策推進本部

Ministry of Health, Labour and Welfare

新型コロナウイルス感染症（変異株）のまとめ

一般的にウイルスは増殖や感染を繰り返す中で少しずつ変異していくものであり、新型コロナウイルスも約2週間で一箇所程度の速度で変異していると考えられている。

国立感染症研究所は、こうした変異をリスク分析し、その評価に応じて、変異株を「懸念される変異株（VOC）」と「注目すべき変異株（VOI）」に分類※¹している。

1. 懸念される変異株（Variant of Concern : VOC）

主に感染性や重篤度が増す・ワクチン効果を弱めるなど性質が変化した可能性のある株

- B.1.1.7系統の変異株（アルファ株）※²
- B.1.351系統の変異株（ベータ株）
- P.1系統の変異株（ガンマ株）
- B.1.617.2系統の変異株（デルタ株）

2. 注目すべき変異株（Variant of Interest : VOI）

主に感染性や重篤度・ワクチン効果などに影響を与える可能性が示唆される株

- B.1.617.1系統の変異株（カッパ株）

※¹ 国立感染症研究所では、WHOと同様に、変異株をVOCとVOIに分類している。国内での検出状況等を加味することから、分類は各国によって異なる。※² PANGO系統(pango lineage)は、新型コロナウイルスに関して用いられる国際的な系統分類命名法であり、変異株の呼称として広く用いられている。括弧内の変異株名は、WHOラベルである。

新型コロナウイルスの懸念される変異株（VOC）

| PANGO系統 (WHOラベル) | 最初の 検出 | 主な 変異 | 感染性 (従来株比) | 重篤度 (従来株比) | 再感染やワクチン 効果 (従来株比) |
|-------------------------------|------------------|----------------|--------------------------------|---|------------------------------------|
| B.1.1.7系統の変異株 (アルファ株) | 2020年9月 英国 | N501Y | 1.32倍と推定※ (5～7割程度 高い可能性) | 1.4倍 (40-64歳 1.66倍) と推定※ (入院・死亡リスクが高い 可能性) | 効果に影響がある 証拠なし |
| B.1.351 系統の変異株 (ベータ株) | 2020年5月 南アフリカ | N501Y E484K | 5割程度高い 可能性 | 入院時死亡リスク が高い可能性 | 効果を弱める 可能性 |
| P.1系統の変異株 (ガンマ株) | 2020年11月 ブラジル | N501Y E484K | 1.4-2.2倍高い 可能性 | 入院リスクが高い 可能性 | 効果を弱める可能性 従来株感染者の再感染 事例の報告あり |
| B.1.617.2系統 の変異株 (デルタ株) | 2020年10月 インド | L452R | 高い可能性 (アルファ株の1.5倍 高い可能性) | 入院リスクが高い 可能性 | ワクチンと抗体医薬の 効果を弱める可能性 |

※感染性・重篤度は、国立感染症研究所等による日本国内症例の疫学的分析結果に基づくもの。ただし、重篤度について、本結果のみから変異株の重症度について結論づけることは困難。
 ※PANGO系統(PANGO Lineage)は、新型コロナウイルスに関して用いられる国際的な系統分類命名法であり、変異株の呼称として広く用いられている。括弧内の変異株名は、WHOラベルである。

新型コロナウイルスの注目すべき変異株（VOI）

| PANGO系統 (WHOラベル) | 最初の 検出 | 主な 変異 | 概要 |
|---------------------------|-----------------|----------------|--|
| B.1.617.1系統の変異株 (カッパ株) | 2020年10月 インド | L452R E484Q | <ul style="list-style-type: none">感染性の増加と治療薬（抗体医薬）の効果への影響が示唆されている引き続き、ゲノムサーベイランスを通じて実態を把握 |

※件数は暫定値であり、その時点において最新のpango lineageを基に計上しているものであるため、再集計した際に数値が変動する可能性がある。

※PANGO系統(pango lineage)は、新型コロナウイルスに関して用いられる国際的な系統分類命名法であり、変異株の呼称として広く用いられている。括弧内の変異株名は、WHOラベルである。

国内におけるSARS-CoV-2のゲノム解析

累積:60,245 (8/2時点) (+942) 括弧内は7/26時点比

都道府県別・空港等検疫の累積：北海道2,150、青森県98、岩手県379、宮城県1,557、秋田県200、山形県213、福島県1,210、茨城県1,772、栃木県1,318、群馬県752、埼玉県3,259、千葉県2,778、東京都847、神奈川県2,447、新潟県861、富山県528、石川県1,108、福井県683、山梨県329、長野県1,019、岐阜県349、静岡県1,061、愛知県657、三重県1,181、滋賀県730、京都府1,451、大阪府2,198、兵庫県6,854、奈良県886、和歌山県1,275、鳥取県284、島根県344、岡山県631、広島県1,647、山口県1,458、徳島県193、香川県472、愛媛県302、高知県383、福岡県6,275、佐賀県529、長崎県613、熊本県1,031、大分県965、宮崎県309、鹿児島県1,230、沖縄県1,824、空港等検疫1,605

国立感染症研究所等における全ゲノム解析により確認されたVOCs, VOIs

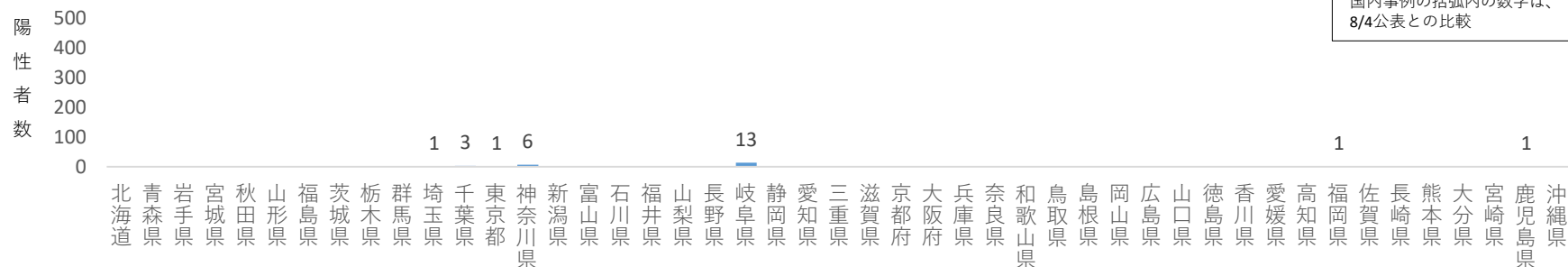
(系統のみを特定できたものも含む) (8/2時点) 括弧内は7/26時点比

| | |
|------------------------|------------------------------------|
| B.1.1.7系統の変異株 (アルファ株) | : 国内36,408例 (+2,447例)、検疫329例 (+1例) |
| B.1.351系統の変異株 (ベータ株) | : 国内22例 (+0例)、検疫91例 (+1例) |
| P.1系統の変異株 (ガンマ株) | : 国内94例 (+0例)、検疫26例 (+2例) |
| B.1.617.2系統の変異株 (デルタ株) | : 国内2,533例 (+1,359例)、検疫470例 (+61例) |
| B.1.617.1系統の変異株 (カッパ株) | : 国内7例 (+0例)、検疫19例 (+0例) |

※件数は暫定値であり、その時点において最新のpango lineageを基に計上しているものであるため、再集計した際に数値が変動する可能性がある。
※デルタ株にはB.1.617.2系統と同等の変異を有する系統 (AY.1等) が含まれる。

都道府県別の懸念される変異株の事例数(ゲノム解析) (HER-SYS)

B.1.351系統の変異株 (ベータ株) 国内事例 n=26 (+1) ※1

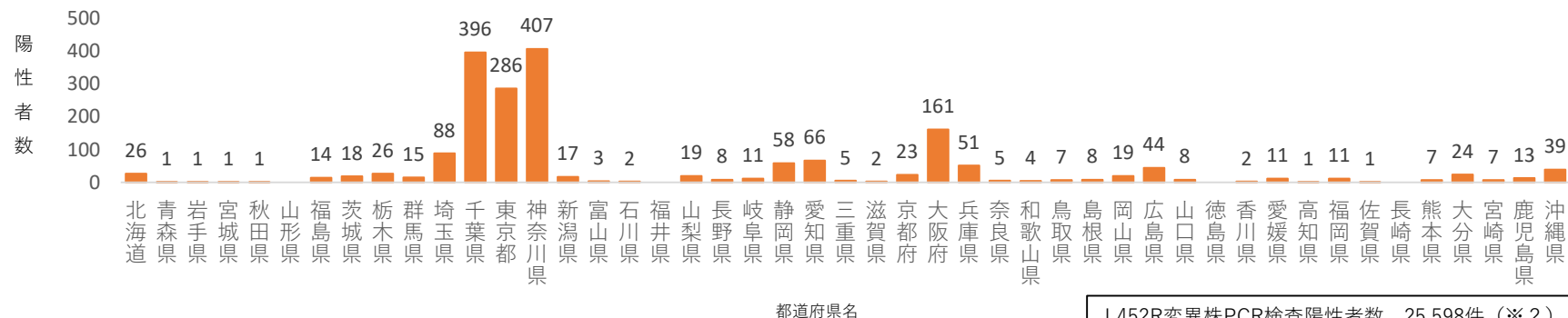


2021/8/10時点、
国内事例の括弧内の数字は、
8/4公表との比較

P.1系統の変異株 (ガンマ株) 国内事例 n=86 (+0) ※1



B.1.617.2系統の変異株 (デルタ株) 国内事例 n=1,917 (+716) ※1,2



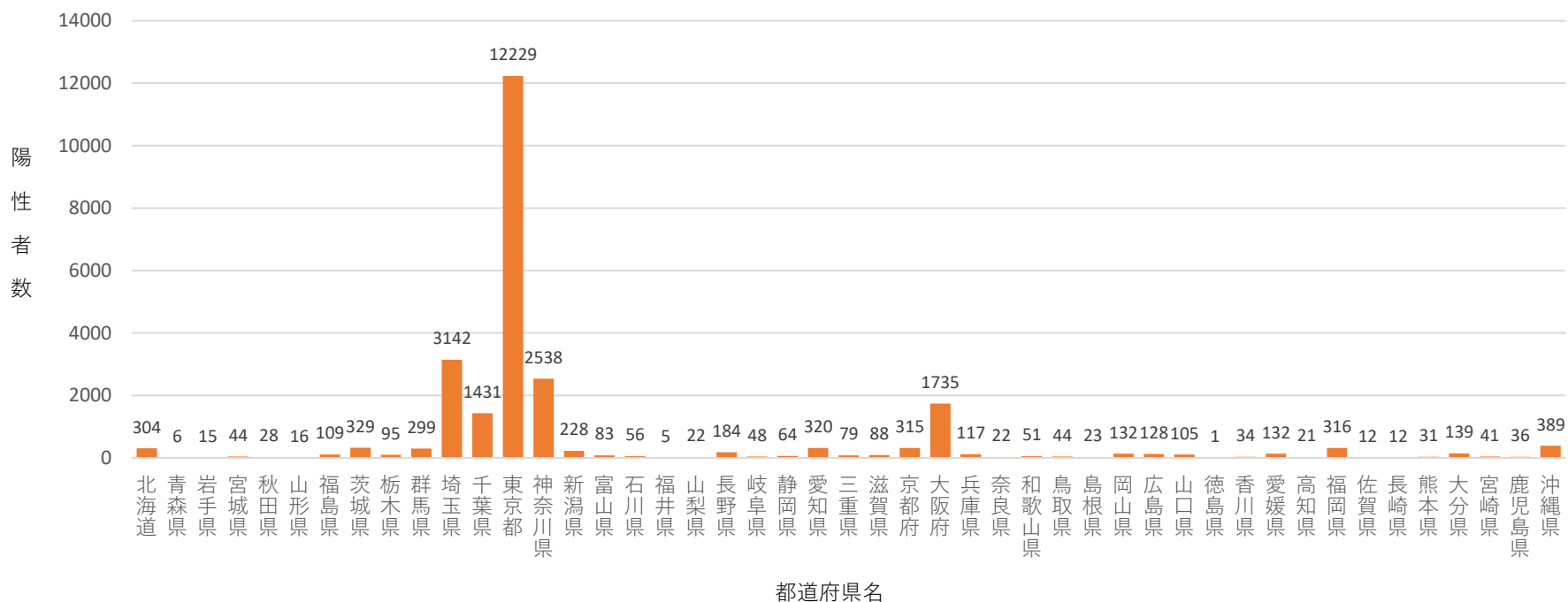
L452R変異株PCR検査陽性者数 25,598件 (※2)

※1. 国内事例は、8月10日までにHER-SYSで把握した累計を計上しており、自治体で公表された数字とは異なる可能性がある。また、ゲノム解析の国内事例数には、自治体等（地方衛生研究所・大学等）でゲノム確定した数が含まれる。公表後にHER-SYS上で事例削除・変更等された事例があることから、先週との事例数の差分については、負の数となっている場合がある。

※2. L452R変異株PCR検査では、L452R変異があるイブシロン株、C.36系統など他の株を検出する可能性があり、地域の感染状況の評価には注意が必要。

都道府県別のL452R変異株PCR陽性者数 (HER-SYS)

2021/8/10時点※1, 2



※ 1 国内事例は、8月10日までにHER-SYSで把握した累計を計上しており、自治体で公表された数字とは異なる可能性がある。

※ 2 L452R変異株PCR検査では、L452R変異があるイプシロン株、C.36系統など他の株を検出する可能性があり、地域の感染状況の評価には注意が必要。

L452R変異株スクリーニング検査の実施率・陽性率（機械的な試算）速報値

| 7/26- 8/1 | 新規 陽性者数 | 合計（①+②） | | ①自治体 | | | | ②民間検査機関 | | | |
|--------------|---------------|-------------|-------------|--------------|--------------|------------|------------|---------------|---------------|------------|------------|
| | | 実施率 | 陽性率 | 実施 件数 | 陽性 者数 | 実施率 | 陽性率 | 実施 件数 | 陽性 者数 | 実施率 | 陽性率 |
| 北海道 | 1,563 | 68 % | 48 % | 615 | 281 | 39% | 46% | 452 | 230 | 29% | 51% |
| 埼玉県 | 5,565 | 39 % | 76 % | 130 | 85 | 2% | 65% | 2,065 | 1,579 | 37% | 76% |
| 千葉県 | 4,379 | 36 % | 76 % | 472 | 358 | 11% | 76% | 1,084 | 825 | 25% | 76% |
| 東京都 | 21,735 | 47 % | 79 % | 183 | 113 | 1% | 62% | 10,046 | 7,926 | 46% | 79% |
| 神奈川 | 7,768 | 38 % | 69 % | 771 | 540 | 10% | 70% | 2,021 | 1,509 | 28% | 69% |
| 石川県 | 645 | 41 % | 45 % | 243 | 108 | 38% | 44% | 20 | 11 | 3% | 55% |
| 京都府 | 1,043 | 50 % | 62 % | 257 | 178 | 25% | 69% | 260 | 145 | 25% | 56% |
| 大阪府 | 5,657 | 33 % | 35 % | 990 | 336 | 18% | 34% | 892 | 322 | 16% | 36% |
| 兵庫県 | 1,779 | 26 % | 43 % | 269 | 106 | 15% | 39% | 199 | 97 | 11% | 49% |
| 福岡県 | 2,595 | 28 % | 62 % | 430 | 244 | 17% | 57% | 304 | 213 | 12% | 70% |
| 沖縄県 | 2,397 | 15 % | 62 % | 257 | 150 | 11% | 58% | 98 | 69 | 4% | 70% |
| 全国 | 65,754 | 41 % | 67 % | 8,184 | 4,461 | 12% | 55% | 18,656 | 13,487 | 28% | 72% |

※1 各報告日時点の集計値を記載しているため、各自治体のホームページ等で公表されている数値と異なる場合がある。※2 速報値のため、今後、精査が必要な数字である。※3 一部の都道府県ではN501Y変異株PCR検査が陰性だった検体に対して、L452R変異株PCR検査を実施。※4 L452R変異があるイプシロン株、C.36系統など他の株を検出する可能性や一部検体を対象に実施したものであり、地域の感染状況の評価には注意が必要。

L452R変異株スクリーニング検査の実施率・陽性率（機械的な試算）時系列

| | 7/5 - 7/11 | | 7/12 - 7/18 | | 7/19 - 7/25 | | 7/26 - 8/1 | |
|-----------|-------------|-------------|-------------|-------------|-------------|-------------|-------------|-------------|
| | 実施率 | 陽性率 | 実施率 | 陽性率 | 実施率 | 陽性率 | 実施率 | 陽性率 |
| 北海道 | 71 % | 20 % | 74 % | 34 % | 68 % | 35 % | 68 % | 48 % |
| 埼玉県 | 45 % | 17 % | 40 % | 38 % | 34 % | 51 % | 39 % | 76 % |
| 千葉県 | 40 % | 30 % | 34 % | 46 % | 35 % | 59 % | 36 % | 76 % |
| 東京都 | 56 % | 28 % | 49 % | 43 % | 41 % | 54 % | 47 % | 79 % |
| 神奈川 | 43 % | 15 % | 42 % | 30 % | 33 % | 43 % | 38 % | 69 % |
| 石川県 | 49 % | 0 % | 27 % | 2 % | 7 % | 9 % | 41 % | 45 % |
| 京都府 | 58 % | 13 % | 52 % | 15 % | 46 % | 22 % | 50 % | 62 % |
| 大阪府 | 31 % | 15 % | 28 % | 10 % | 26 % | 15 % | 33 % | 35 % |
| 兵庫県 | 40 % | 15 % | 28 % | 18 % | 31 % | 25 % | 26 % | 43 % |
| 福岡県 | 41 % | 26 % | 53 % | 25 % | 25 % | 33 % | 28 % | 62 % |
| 沖縄県 | 48 % | 6 % | 32 % | 23 % | 22 % | 40 % | 15 % | 62 % |
| 全国 | 50 % | 21 % | 45 % | 33 % | 37 % | 44 % | 41 % | 67 % |

L452R変異株スクリーニング検査の実施状況 (7/26-8/1) 速報値 2021/8/10時点

| | 都道府県 | 新規陽性者数 | 実施件数 ① | 陽性者数 ② | 陽性率% ②/① |
|----|------|--------|-----------|-----------|-------------|
| 1 | 北海道 | 1,563 | 1,067 | 511 | 48 |
| 2 | 青森県 | 96 | 16 | 6 | 38 |
| 3 | 岩手県 | 99 | 19 | 16 | 84 |
| 4 | 宮城県 | 269 | 158 | 101 | 64 |
| 5 | 秋田県 | 27 | 22 | 6 | 27 |
| 6 | 山形県 | 61 | 25 | 16 | 64 |
| 7 | 福島県 | 506 | 235 | 159 | 68 |
| 8 | 茨城県 | 1,138 | 352 | 214 | 61 |
| 9 | 栃木県 | 758 | 361 | 239 | 66 |
| 10 | 群馬県 | 597 | 157 | 128 | 82 |
| 11 | 埼玉県 | 5,565 | 2,195 | 1,664 | 76 |
| 12 | 千葉県 | 4,379 | 1,556 | 1,183 | 76 |
| 13 | 東京都 | 21,735 | 10,229 | 8,039 | 79 |
| 14 | 神奈川県 | 7,768 | 2,972 | 2,049 | 69 |
| 15 | 新潟県 | 318 | 110 | 72 | 65 |
| 16 | 富山県 | 152 | 195 | 60 | 31 |
| 17 | 石川県 | 645 | 263 | 119 | 45 |
| 18 | 福井県 | 159 | 114 | 28 | 25 |
| 19 | 山梨県 | 189 | 57 | 25 | 44 |
| 20 | 長野県 | 196 | 56 | 44 | 79 |
| 21 | 岐阜県 | 165 | 35 | 18 | 51 |
| 22 | 静岡県 | 769 | 464 | 216 | 47 |
| 23 | 愛知県 | 1,507 | 350 | 155 | 44 |
| 24 | 三重県 | 222 | 114 | 80 | 70 |

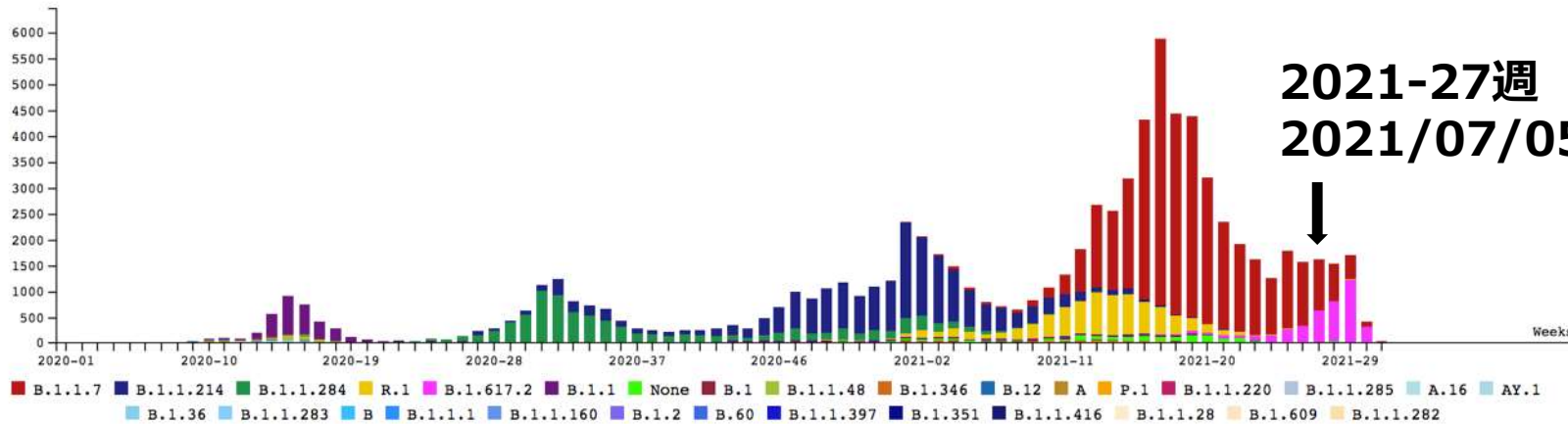
| | 都道府県 | 新規陽性者数 | 実施件数 ① | 陽性者数 ② | 陽性率% ②/① |
|----|-----------|---------------|---------------|---------------|-------------|
| 25 | 滋賀県 | 287 | 89 | 38 | 43 |
| 26 | 京都府 | 1,043 | 517 | 323 | 62 |
| 27 | 大阪府 | 5,657 | 1,882 | 658 | 35 |
| 28 | 兵庫県 | 1,779 | 468 | 203 | 43 |
| 29 | 奈良県 | 367 | 102 | 20 | 20 |
| 30 | 和歌山県 | 200 | 131 | 40 | 31 |
| 31 | 鳥取県 | 150 | 107 | 73 | 68 |
| 32 | 島根県 | 69 | 53 | 12 | 23 |
| 33 | 岡山県 | 411 | 197 | 136 | 69 |
| 34 | 広島県 | 360 | 178 | 48 | 27 |
| 35 | 山口県 | 95 | 70 | 47 | 67 |
| 36 | 徳島県 | 55 | 34 | 5 | 15 |
| 37 | 香川県 | 146 | 52 | 8 | 15 |
| 38 | 愛媛県 | 94 | 55 | 52 | 95 |
| 39 | 高知県 | 104 | 53 | 7 | 13 |
| 40 | 福岡県 | 2,595 | 734 | 457 | 62 |
| 41 | 佐賀県 | 122 | 49 | 37 | 76 |
| 42 | 長崎県 | 163 | 137 | 98 | 72 |
| 43 | 熊本県 | 422 | 195 | 153 | 78 |
| 44 | 大分県 | 123 | 111 | 86 | 77 |
| 45 | 宮崎県 | 80 | 42 | 13 | 31 |
| 46 | 鹿児島県 | 152 | 107 | 67 | 63 |
| 47 | 沖縄県 | 2,397 | 355 | 219 | 62 |
| | 全国 | 65,754 | 26,840 | 17,948 | 67% |

※1 各報告日時点の集計値を記載しているため、各自治体のホームページ等で公表されている数値と異なる場合がある。※2 速報値のため、今後、精査が必要な数字である。※3 一部の都道府県ではN501Y変異株PCR検査が陰性だった検体に対して、L452R変異株PCR検査を実施。※4 L452R変異があるイプシロン株、C.36系統など他の株を検出する可能性や一部検体を対象に実施したものであり、地域の感染状況の評価には注意が必要。

| | 7/5-7/11 | | | | | | | | | | 7/12-7/18 | | | | | | | | | | 7/19-7/25 | | | | | | | | | | 7/26-8/1 | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | |
|------|-----------------|------------------------------------|------------------|-------------------------|-------------------|--------------------------|-----------------------------------|-----------------|------------------------|-------------------|--------------------------|----------------------------|----------------------------|-----------------|------------------------------------|------------------|-------------------------|-------------------|--------------------------|-----------------------------------|-----------------|------------------------|-------------------|--------------------------|----------------------------|----------------------------|-----------------|------------------------------------|------------------|-------------------------|-------------------|--------------------------|-----------------------------------|-----------------|------------------------|-------------------|--------------------------|----------------------------|----------------------------|-----------------|------------------------------------|------------------|-------------------------|-------------------|--------------------------|-----------------------------------|-----------------|------------------------|-------------------|--------------------------|----------------------------|----------------------------|
| | ① 新規感染 者数 | ② 変異株 PCR検査 実施件数 (ア+イ) | ア 自治体実 施件数 | イ 民間検査 機関実施 件数 | ア/イ 自治体実 施率 | イ/ア 民間検査 機関実施 率 | ③ 変異株 PCR検査 陽性者 (ウ+エ) | ウ 自治体陽 性者 | エ 民間検査 機関陽性 者 | ウ/エ 自治体陽 性率 | エ/ウ 民間検査 機関陽性 率 | ②/① 変異株 PCR検査 実施率 | ③/② 変異株 PCR検査 陽性率 | ① 新規感染 者数 | ② 変異株 PCR検査 実施件数 (ア+イ) | ア 自治体実 施件数 | イ 民間検査 機関実施 件数 | ア/イ 自治体実 施率 | イ/ア 民間検査 機関実施 率 | ③ 変異株 PCR検査 陽性者 (ウ+エ) | ウ 自治体陽 性者 | エ 民間検査 機関陽性 者 | ウ/エ 自治体陽 性率 | エ/ウ 民間検査 機関陽性 率 | ②/① 変異株 PCR検査 実施率 | ③/② 変異株 PCR検査 陽性率 | ① 新規感染 者数 | ② 変異株 PCR検査 実施件数 (ア+イ) | ア 自治体実 施件数 | イ 民間検査 機関実施 件数 | ア/イ 自治体実 施率 | イ/ア 民間検査 機関実施 率 | ③ 変異株 PCR検査 陽性者 (ウ+エ) | ウ 自治体陽 性者 | エ 民間検査 機関陽性 者 | ウ/エ 自治体陽 性率 | エ/ウ 民間検査 機関陽性 率 | ②/① 変異株 PCR検査 実施率 | ③/② 変異株 PCR検査 陽性率 | ① 新規感染 者数 | ② 変異株 PCR検査 実施件数 (ア+イ) | ア 自治体実 施件数 | イ 民間検査 機関実施 件数 | ア/イ 自治体実 施率 | イ/ア 民間検査 機関実施 率 | ③ 変異株 PCR検査 陽性者 (ウ+エ) | ウ 自治体陽 性者 | エ 民間検査 機関陽性 者 | ウ/エ 自治体陽 性率 | エ/ウ 民間検査 機関陽性 率 | ②/① 変異株 PCR検査 実施率 | ③/② 変異株 PCR検査 陽性率 |
| 北海道 | 362 | 258 | 146 | 112 | 40 | 31 | 52 | 43 | 9 | 29 | 8 | 71 | 20 | 558 | 414 | 258 | 156 | 46 | 28 | 141 | 88 | 53 | 34 | 34 | 74 | 34 | 742 | 504 | 250 | 254 | 34 | 34 | 177 | 95 | 82 | 38 | 32 | 68 | 35 | 1,563 | 1,067 | 615 | 452 | 39 | 29 | 511 | 281 | 230 | 46 | 51 | 68 | 48 |
| 青森県 | 19 | 17 | 15 | 2 | 79 | 11 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 89 | 0 | 40 | 12 | 9 | 3 | 23 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 30 | 0 | 37 | 18 | 16 | 2 | 43 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 49 | 0 | 96 | 16 | 14 | 2 | 15 | 2 | 6 | 4 | 2 | 29 | 100 | 17 | 38 |
| 岩手県 | 75 | 30 | 28 | 2 | 37 | 3 | 4 | 4 | 0 | 14 | 0 | 40 | 13 | 67 | 24 | 23 | 1 | 34 | 1 | 14 | 14 | 0 | 61 | 0 | 36 | 58 | 57 | 48 | 47 | 1 | 82 | 2 | 17 | 17 | 0 | 36 | 0 | 84 | 35 | 99 | 19 | 17 | 2 | 17 | 2 | 16 | 15 | 1 | 88 | 50 | 19 | 84 |
| 宮城県 | 132 | 80 | 76 | 4 | 58 | 3 | 2 | 2 | 0 | 3 | 0 | 61 | 3 | 230 | 58 | 47 | 11 | 20 | 5 | 8 | 6 | 2 | 13 | 18 | 25 | 14 | 126 | 74 | 65 | 9 | 52 | 7 | 18 | 17 | 1 | 26 | 11 | 59 | 24 | 269 | 158 | 148 | 10 | 55 | 4 | 101 | 98 | 3 | 66 | 30 | 59 | 64 |
| 秋田県 | 32 | 26 | 24 | 2 | 75 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 81 | 0 | 35 | 32 | 28 | 4 | 80 | 11 | 2 | 2 | 0 | 7 | 0 | 91 | 6 | 20 | 17 | 17 | 0 | 85 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 85 | 0 | 27 | 22 | 22 | 0 | 81 | 0 | 6 | 6 | 0 | 27 | - | 81 | 27 | |
| 山形県 | 33 | 17 | 15 | 2 | 45 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 52 | 0 | 23 | 19 | 17 | 2 | 74 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 83 | 0 | 8 | 11 | 11 | 0 | 138 | 0 | 1 | 1 | 0 | 9 | - | 138 | 9 | 61 | 25 | 25 | 0 | 41 | 0 | 16 | 16 | 0 | 64 | - | 41 | 64 | |
| 福島県 | 128 | 74 | 39 | 35 | 30 | 27 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 58 | 0 | 97 | 88 | 73 | 15 | 75 | 15 | 7 | 4 | 3 | 5 | 20 | 91 | 8 | 140 | 92 | 85 | 7 | 61 | 5 | 18 | 17 | 1 | 20 | 14 | 66 | 20 | 506 | 235 | 195 | 40 | 39 | 8 | 159 | 138 | 21 | 71 | 53 | 46 | 68 |
| 茨城県 | 186 | 116 | 72 | 44 | 39 | 24 | 29 | 19 | 10 | 26 | 23 | 62 | 25 | 280 | 183 | 105 | 78 | 38 | 28 | 57 | 35 | 22 | 33 | 28 | 65 | 31 | 408 | 178 | 109 | 69 | 27 | 17 | 84 | 53 | 31 | 49 | 45 | 44 | 47 | 1,138 | 352 | 198 | 154 | 17 | 14 | 214 | 122 | 92 | 62 | 60 | 31 | 61 |
| 栃木県 | 127 | 99 | 73 | 26 | 60 | 21 | 4 | 4 | 0 | 5 | 0 | 81 | 4 | 155 | 94 | 83 | 11 | 54 | 7 | 12 | 12 | 0 | 14 | 0 | 65 | 13 | 232 | 136 | 113 | 23 | 49 | 10 | 56 | 49 | 7 | 43 | 30 | 59 | 41 | 758 | 360 | 276 | 85 | 36 | 11 | 239 | 172 | 64 | 63 | 75 | 48 | 66 |
| 群馬県 | 32 | 13 | 3 | 10 | 8 | 27 | 5 | 2 | 3 | 67 | 30 | 35 | 38 | 55 | 17 | 8 | 9 | 15 | 16 | 5 | 2 | 3 | 25 | 33 | 31 | 29 | 156 | 26 | 13 | 13 | 8 | 8 | 14 | 6 | 8 | 46 | 62 | 17 | 54 | 597 | 157 | 56 | 101 | 9 | 17 | 128 | 42 | 86 | 75 | 85 | 26 | 82 |
| 埼玉県 | 985 | 442 | 44 | 398 | 4 | 40 | 75 | 12 | 63 | 27 | 16 | 45 | 17 | 1,754 | 698 | 65 | 633 | 4 | 36 | 266 | 31 | 235 | 48 | 37 | 40 | 38 | 2,599 | 884 | 95 | 789 | 4 | 30 | 453 | 41 | 412 | 43 | 52 | 34 | 51 | 5,565 | 2,195 | 130 | 2,065 | 2 | 37 | 1,664 | 85 | 1,579 | 65 | 76 | 39 | 76 |
| 千葉県 | 1,156 | 464 | 214 | 250 | 19 | 22 | 138 | 78 | 60 | 36 | 24 | 40 | 30 | 1,530 | 514 | 199 | 315 | 13 | 21 | 234 | 91 | 143 | 46 | 45 | 34 | 46 | 1,992 | 692 | 295 | 397 | 15 | 20 | 410 | 189 | 221 | 64 | 56 | 35 | 59 | 4,379 | 1,556 | 472 | 1,084 | 11 | 25 | 1,183 | 358 | 825 | 76 | 76 | 36 | 76 |
| 東京都 | 5,137 | 2,867 | 107 | 2,760 | 2 | 54 | 795 | 24 | 771 | 22 | 28 | 56 | 28 | 7,478 | 3,682 | 106 | 3,576 | 1 | 48 | 1,581 | 33 | 1,548 | 31 | 43 | 49 | 43 | 10,175 | 4,183 | 116 | 4,067 | 1 | 40 | 2,279 | 59 | 2,220 | 51 | 55 | 41 | 54 | 21,735 | 10,229 | 183 | 10,046 | 1 | 46 | 8,039 | 113 | 7,926 | 62 | 79 | 47 | 79 |
| 神奈川県 | 2,004 | 865 | 288 | 577 | 14 | 29 | 133 | 58 | 75 | 20 | 13 | 43 | 15 | 2,797 | 1,173 | 332 | 841 | 12 | 30 | 357 | 112 | 245 | 34 | 29 | 42 | 30 | 3,727 | 1,216 | 392 | 824 | 11 | 22 | 521 | 183 | 338 | 47 | 41 | 33 | 43 | 7,768 | 2,972 | 771 | 2,201 | 10 | 28 | 2,049 | 540 | 1,509 | 70 | 69 | 38 | 69 |
| 新潟県 | 66 | 29 | 27 | 2 | 41 | 3 | 1 | 1 | 0 | 4 | 0 | 44 | 3 | 89 | 57 | 57 | 0 | 64 | 0 | 12 | 12 | 0 | 21 | - | 64 | 21 | 171 | 117 | 116 | 1 | 68 | 1 | 35 | 35 | 0 | 30 | 0 | 68 | 30 | 318 | 110 | 106 | 4 | 33 | 1 | 72 | 70 | 2 | 66 | 50 | 35 | 65 |
| 富山県 | 16 | 16 | 16 | 0 | 100 | 0 | 4 | 4 | 0 | 25 | - | 100 | 25 | 27 | 13 | 13 | 0 | 48 | 0 | 5 | 5 | 0 | 38 | - | 48 | 38 | 71 | 20 | 20 | 0 | 28 | 0 | 4 | 4 | 0 | 20 | - | 28 | 20 | 152 | 195 | 194 | 1 | 128 | 1 | 60 | 60 | 0 | 31 | 0 | 128 | 31 |
| 石川県 | 80 | 39 | 38 | 1 | 48 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 49 | 0 | 178 | 48 | 45 | 3 | 25 | 2 | 1 | 1 | 0 | 2 | 0 | 27 | 2 | 330 | 22 | 12 | 10 | 4 | 3 | 2 | 0 | 2 | 0 | 20 | 7 | 9 | 645 | 263 | 243 | 20 | 38 | 3 | 119 | 108 | 11 | 44 | 55 | 41 | 45 |
| 福井県 | 62 | 36 | 22 | 14 | 35 | 23 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 58 | 0 | 32 | 72 | 61 | 11 | 191 | 34 | 1 | 1 | 0 | 2 | 0 | 225 | 1 | 51 | 13 | 6 | 7 | 12 | 14 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 25 | 0 | 159 | 114 | 68 | 46 | 43 | 29 | 28 | 19 | 9 | 28 | 20 | 72 | 25 |
| 山梨県 | 36 | 13 | 10 | 3 | 28 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 36 | 0 | 27 | 10 | 10 | 0 | 37 | 0 | 1 | 1 | 0 | 10 | - | 37 | 10 | 81 | 13 | 13 | 0 | 16 | 0 | 6 | 6 | 0 | 46 | - | 16 | 46 | 189 | 57 | 49 | 8 | 26 | 4 | 25 | 24 | 1 | 49 | 13 | 30 | 44 |
| 長野県 | 21 | 15 | 12 | 3 | 57 | 14 | 6 | 4 | 2 | 33 | 67 | 71 | 40 | 26 | 12 | 10 | 2 | 38 | 8 | 4 | 4 | 0 | 40 | 0 | 46 | 33 | 51 | 30 | 26 | 4 | 51 | 8 | 16 | 14 | 2 | 54 | 50 | 59 | 53 | 196 | 56 | 51 | 5 | 26 | 3 | 44 | 41 | 3 | 80 | 60 | 29 | 79 |
| 岐阜県 | 25 | 14 | 9 | 5 | 36 | 20 | 4 | 4 | 0 | 44 | 0 | 56 | 29 | 69 | 28 | 19 | 9 | 28 | 13 | 1 | 1 | 0 | 5 | 0 | 41 | 4 | 74 | 21 | 17 | 4 | 23 | 5 | 3 | 3 | 0 | 18 | 0 | 28 | 14 | 165 | 35 | 25 | 10 | 15 | 6 | 18 | 13 | 5 | 52 | 50 | 21 | 51 |
| 静岡県 | 197 | 107 | 86 | 21 | 44 | 11 | 12 | 9 | 3 | 10 | 14 | 54 | 11 | 237 | 163 | 127 | 36 | 54 | 15 | 32 | 22 | 10 | 17 | 28 | 69 | 20 | 378 | 111 | 86 | 25 | 23 | 7 | 36 | 23 | 13 | 27 | 52 | 29 | 32 | 769 | 464 | 399 | 65 | 52 | 8 | 216 | 176 | 40 | 44 | 62 | 60 | 47 |
| 愛知県 | 401 | 132 | 38 | 94 | 9 | 23 | 5 | 2 | 3 | 5 | 3 | 33 | 4 | 493 | 145 | 57 | 88 | 12 | 18 | 10 | 5 | 5 | 9 | 6 | 29 | 7 | 632 | 199 | 96 | 103 | 15 | 16 | 34 | 16 | 18 | 17 | 17 | 31 | 17 | 1,507 | 350 | 108 | 242 | 7 | 16 | 155 | 57 | 98 | 53 | 40 | 23 | 44 |
| 三重県 | 66 | 40 | 35 | 5 | 53 | 8 | 2 | 2 | 0 | 6 | 0 | 61 | 5 | 121 | 80 | 73 | 7 | 60 | 6 | 11 | 9 | 2 | 12 | 29 | 66 | 14 | 112 | 75 | 63 | 12 | 56 | 11 | 28 | 23 | 5 | 37 | 42 | 67 | 37 | 222 | 114 | 103 | 11 | 46 | 5 | 80 | 72 | 8 | 70 | 73 | 51 | 70 |
| 滋賀県 | 55 | 24 | 1 | 23 | 2 | 42 | 5 | 1 | 4 | 100 | 17 | 44 | 21 | 63 | 33 | 0 | 33 | 0 | 52 | 2 | 0 | 2 | - | 6 | 52 | 6 | 93 | 24 | 0 | 24 | 0 | 26 | 2 | 0 | 2 | - | 8 | 26 | 8 | 287 | 89 | 0 | 89 | 0 | 31 | 38 | 0 | 38 | - | 43 | 31 | 43 |
| 京都府 | 154 | 89 | 54 | 35 | 35 | 23 | 12 | 8 | 4 | 15 | 11 | 58 | 13 | 257 | 133 | 77 | 56 | 30 | 22 | 20 | 17 | 3 | 22 | 5 | 52 | 15 | 386 | 178 | 84 | 94 | 22 | 24 | 40 | 13 | 27 | 15 | 29 | 46 | 22 | 1,043 | 517 | 257 | 260 | 25 | 25 | 323 | 178 | 145 | 69 | 56 | 50 | 62 |
| 大阪府 | 1,000 | 310 | 154 | 156 | 15 | 16 | 46 | 29 | 17 | 19 | 11 | 31 | 15 | 1,898 | 537 | 252 | 285 | 13 | 15 | 52 | 24 | 28 | 10 | 10 | 28 | 10 | 2,622 | 675 | 297 | 378 | 11 | 14 | 104 | 51 | 53 | 17 | 14 | 26 | 15 | 5,657 | 1,882 | 990 | 892 | 18 | 16 | 658 | 336 | 322 | 34 | 36 | 33 | 35 |
| 兵庫県 | 260 | 103 | 56 | 47 | 22 | 18 | 15 | 8 | 7 | 14 | 15 | 40 | 15 | 529 | 147 | 80 | 67 | 15 | 13 | 26 | 15 | 11 | 19 | 16 | 28 | 18 | 707 | 221 | 131 | 90 | 19 | 13 | 56 | 38 | 18 | 29 | 20 | 31 | 25 | 1,779 | 468 | 269 | 199 | 15 | 11 | 203 | 106 | 97 | 39 | 49 | 26 | 43 |
| 奈良県 | 88 | 21 | 12 | 9 | 14 | 10 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 24 | 0 | 126 | 43 | 30 | 13 | 24 | 10 | 3 | 2 | 1 | 7 | 8 | 34 | 7 | 158 | 34 | 24 | 10 | 15 | 6 | 1 | 1 | 0 | 4 | 0 | 22 | 3 | 367 | 102 | 59 | 43 | 16 | 12 | 20 | 10 | 10 | 17 | 23 | 28 | 20 |
| 和歌山県 | 17 | 20 | 13 | 7 | 76 | 41 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 118 | 0 | 32 | 39 | 20 | 19 | 63 | 59 | 5 | 3 | 2 | 15 | 11 | 122 | 13 | 62 | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | |

国内 新型コロナゲノムの PANGO lineage 変遷（2021/08/06 現在）

[Only Domestic] Weekly Top 30 Graph (count each week)



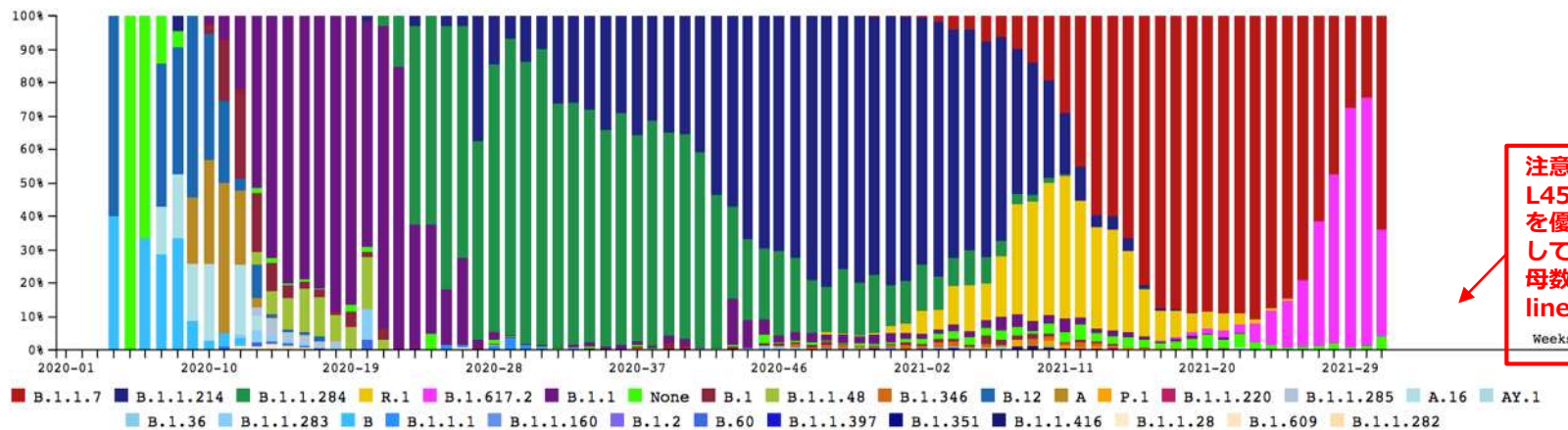
2021-27週
2021/07/05 - 07/11

| 2021-27 | |
|-----------|-----|
| B.1.1.7 | 991 |
| B.1.1.214 | 0 |
| B.1.1.284 | 0 |
| R.1 | 0 |
| B.1.617.2 | 599 |
| B.1.1 | 0 |
| None | 16 |
| B.1 | 2 |

None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Only Domestic] Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



※他の系統については検出されていない。

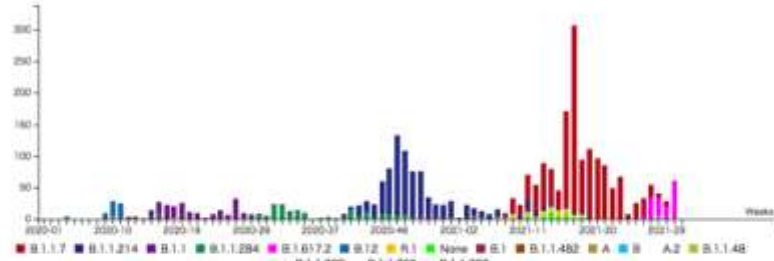
注意!
L452R PCR陽性検体を優先してゲノム解読しているため、正確な母数でPANGO lineage判定できない。

None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

北海道

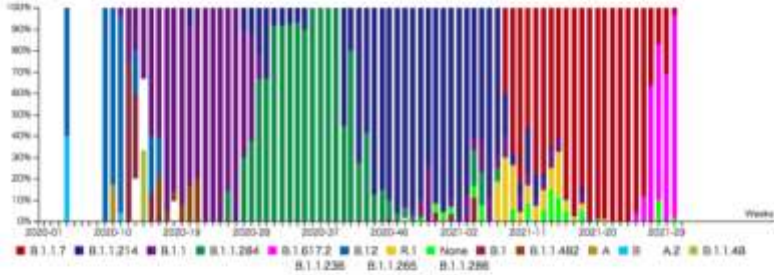
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

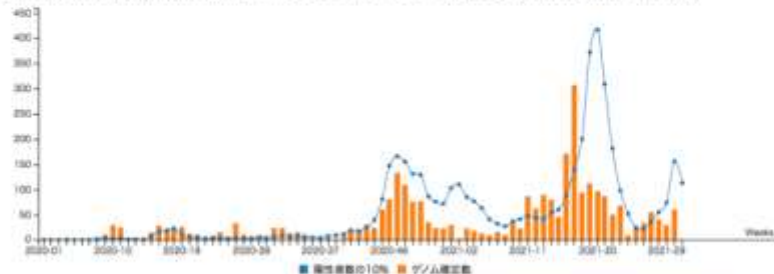
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Hokkaido] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



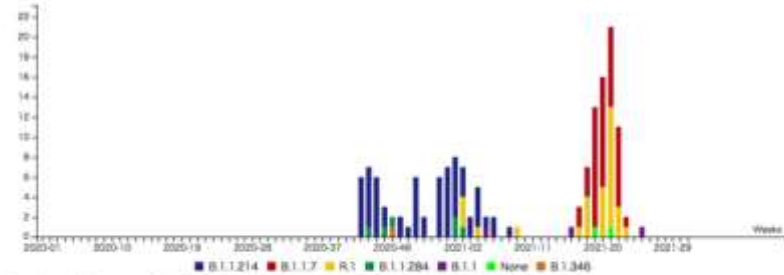
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

青森県

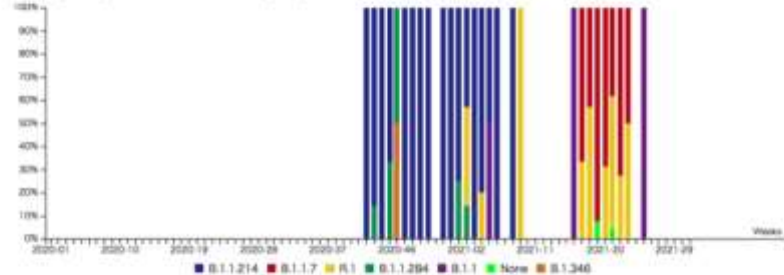
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

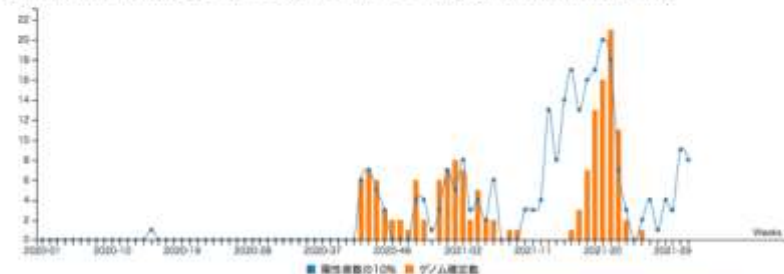
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Aomori] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



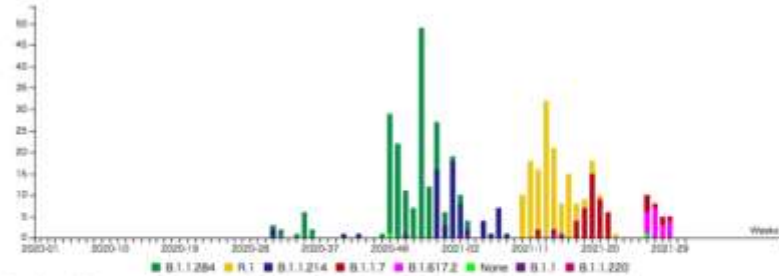
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

岩手県

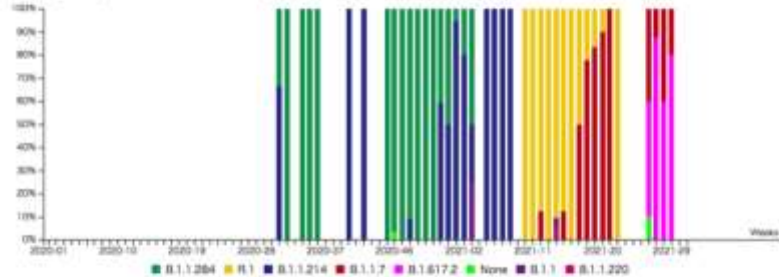
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

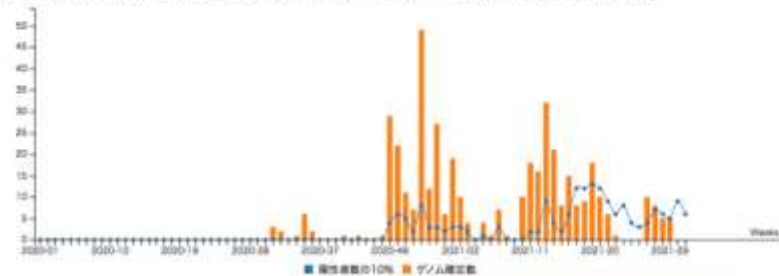
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Iwate] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



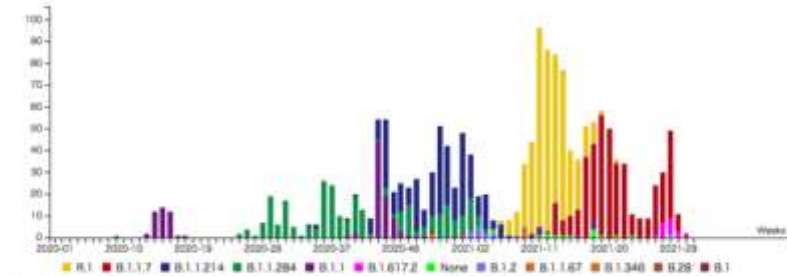
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

宮城県

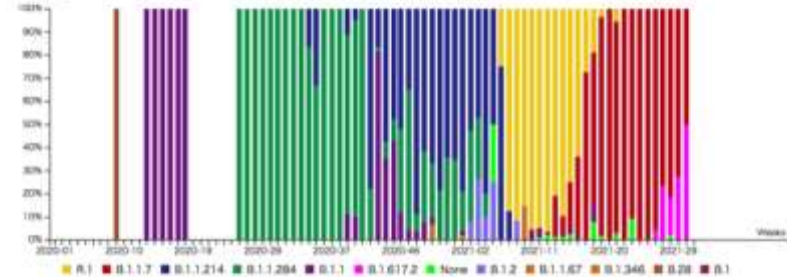
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

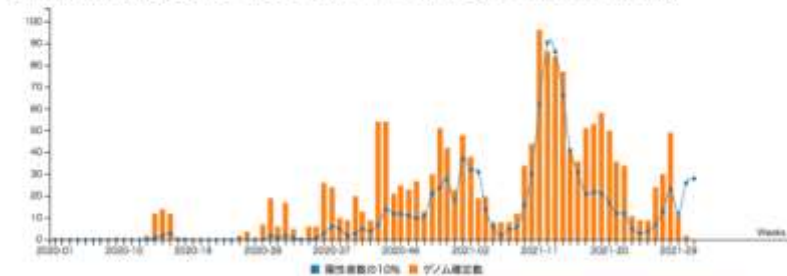
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Miyagi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



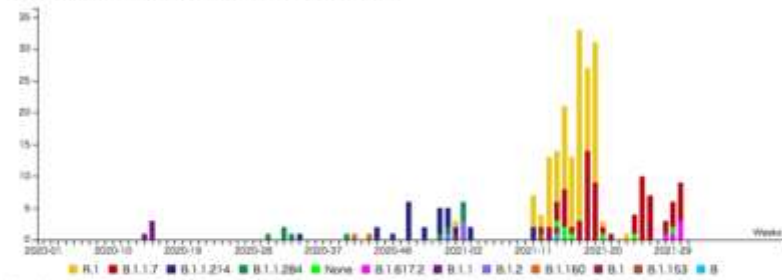
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

秋田県

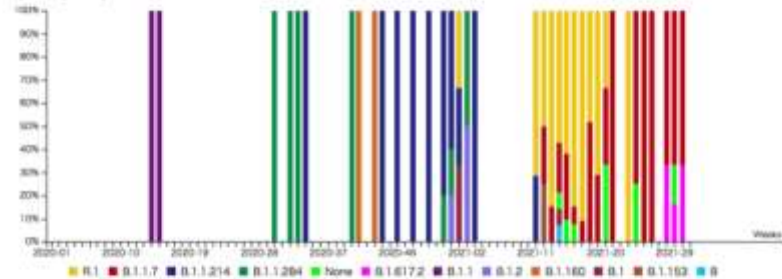
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

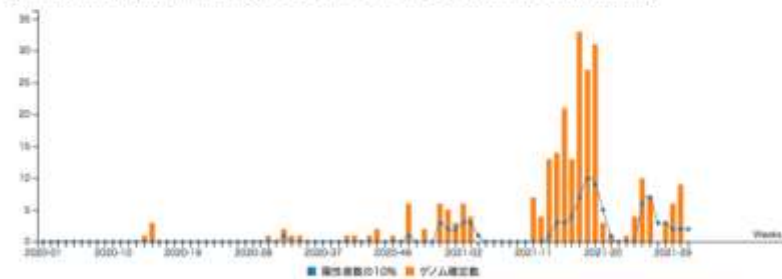
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Akita] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)

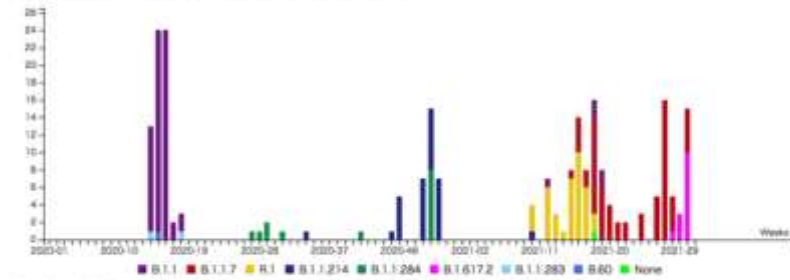


(陽性者数の計算について [集計元] 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

山形県

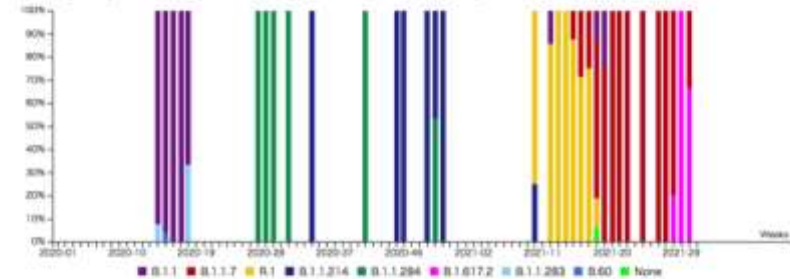
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

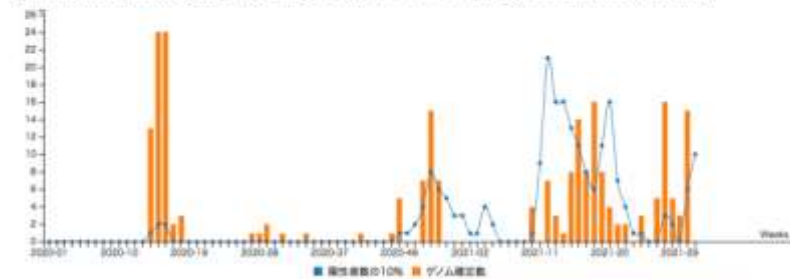
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Yamagata] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)

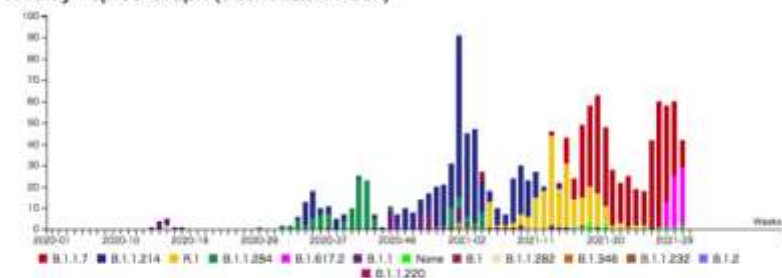


(陽性者数の計算について [集計元] 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

福島県

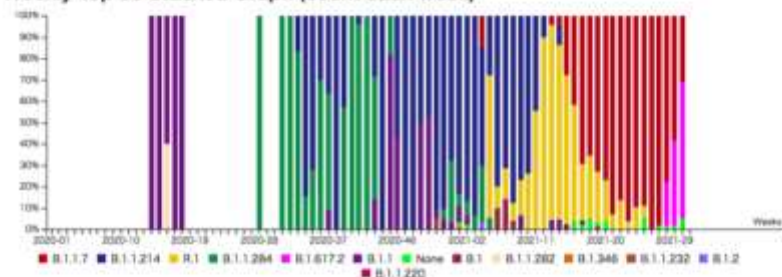
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

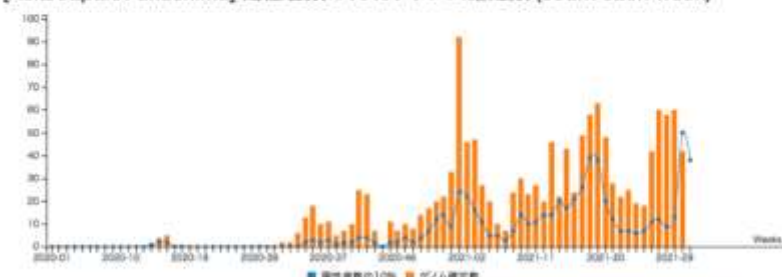
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Fukushima] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



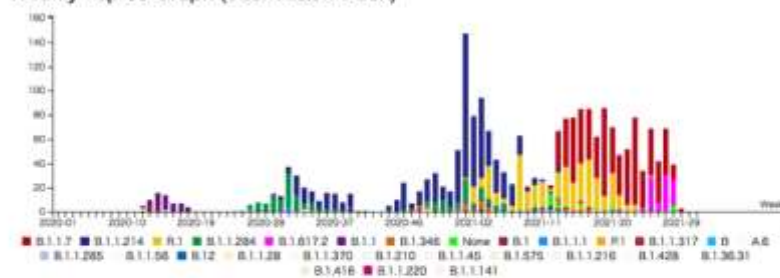
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

茨城県

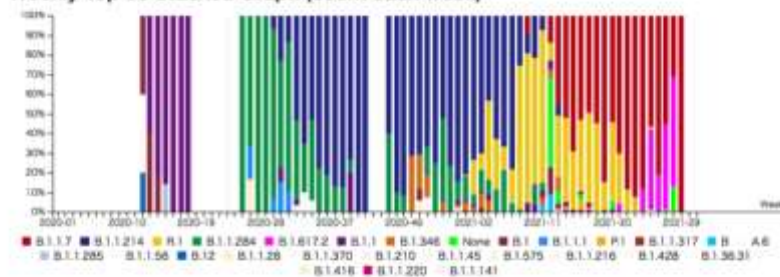
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

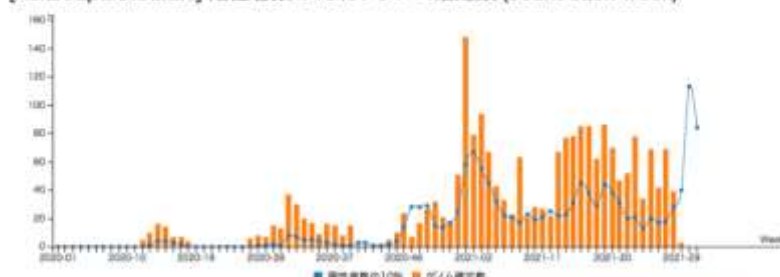
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Ibaraki] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



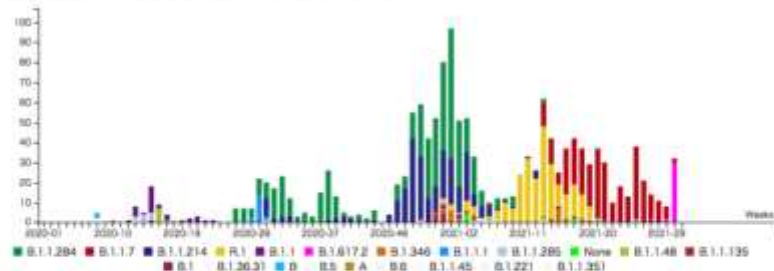
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

栃木県

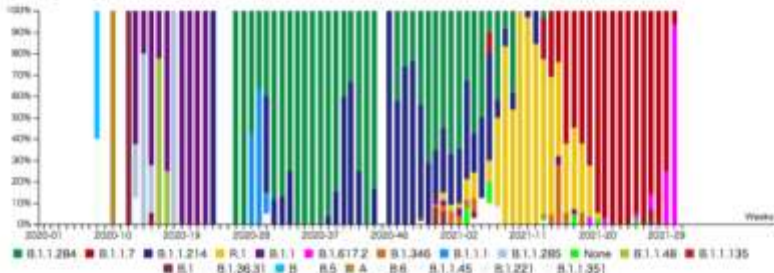
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

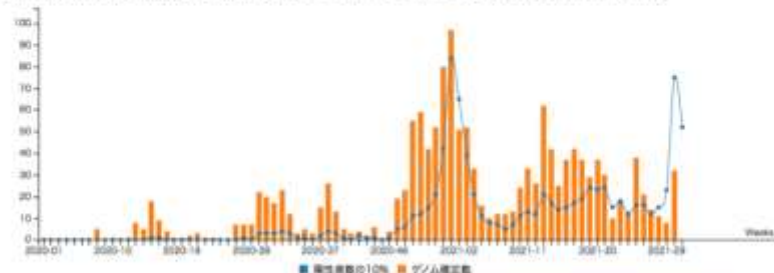
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Tochigi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



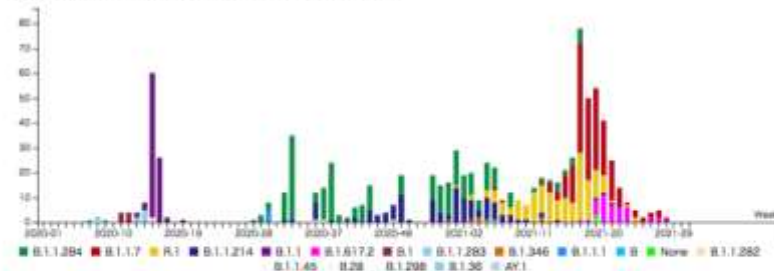
(陽性者数の計算について [集計元] 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

群馬県

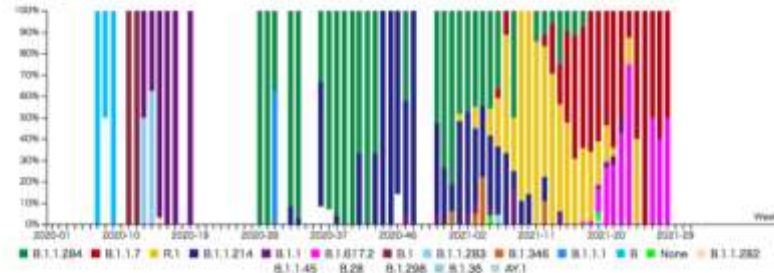
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

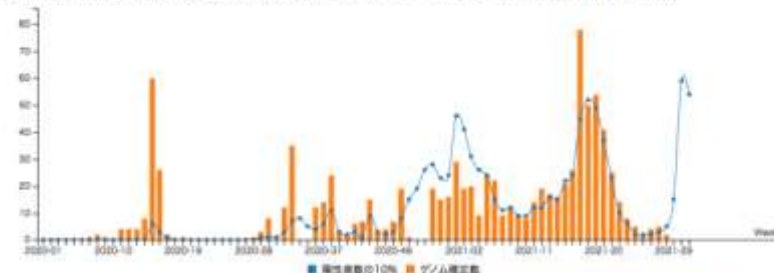
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Gunma] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



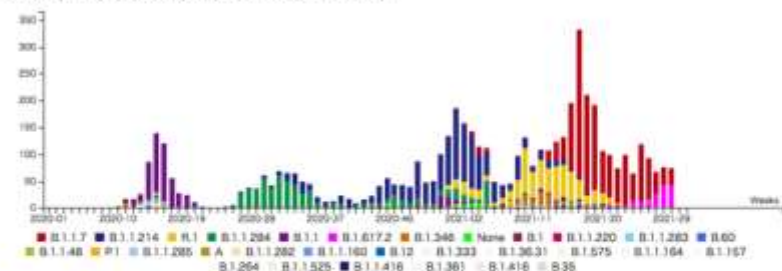
(陽性者数の計算について [集計元] 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

埼玉県

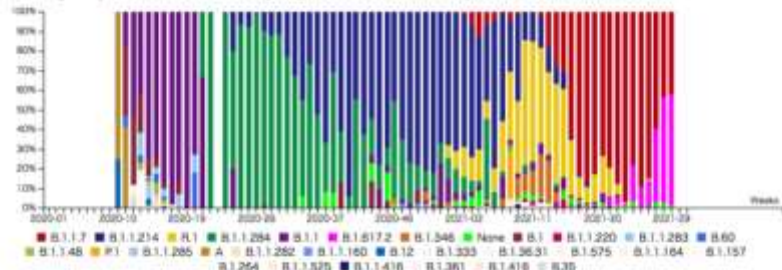
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

[ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象]

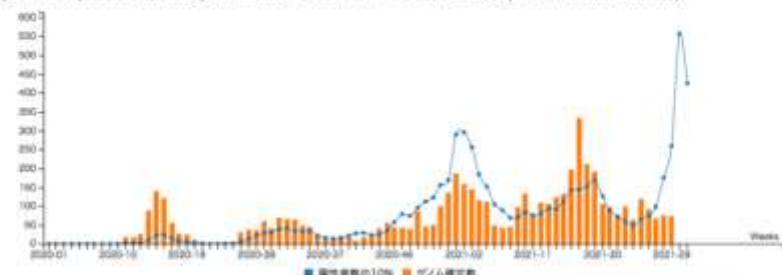
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

[ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象]

[Asia/Japan/Saitama] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)

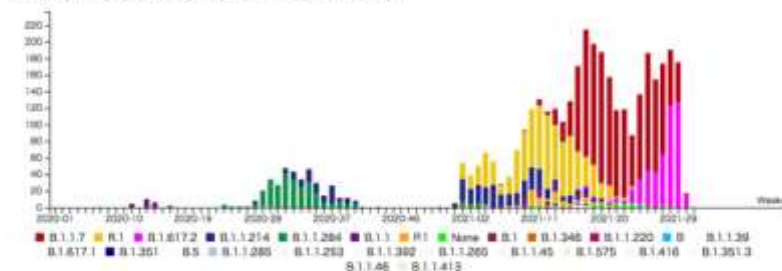


[陽性者数の計算について (集計元) | 情報NAHまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>]

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
[いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施]

千葉県

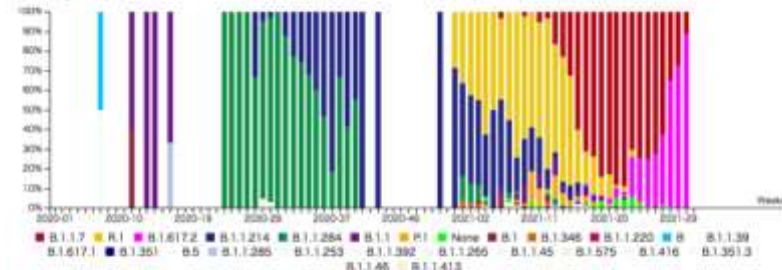
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

[ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象]

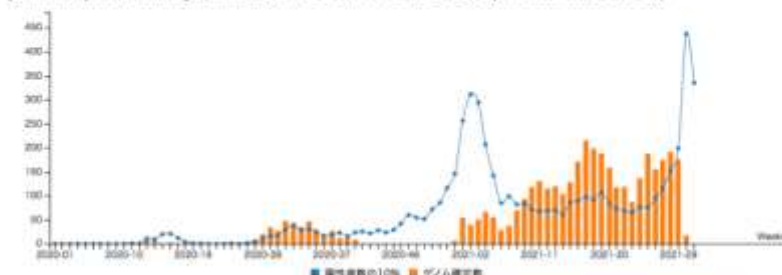
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

[ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象]

[Asia/Japan/Chiba] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)

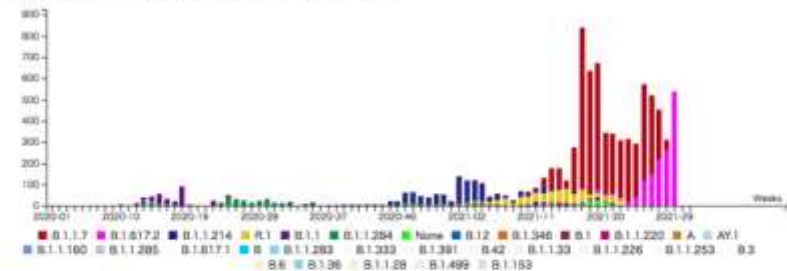


[陽性者数の計算について (集計元) | 情報NAHまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>]

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
[いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施]

東京都

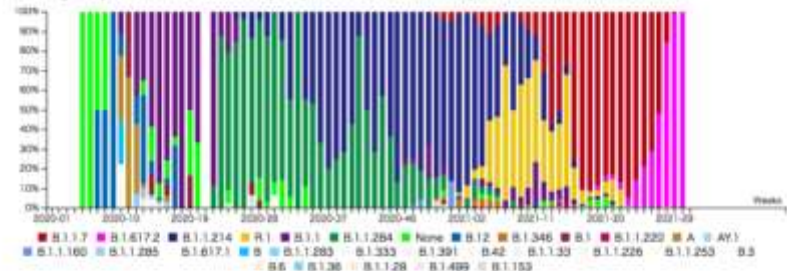
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

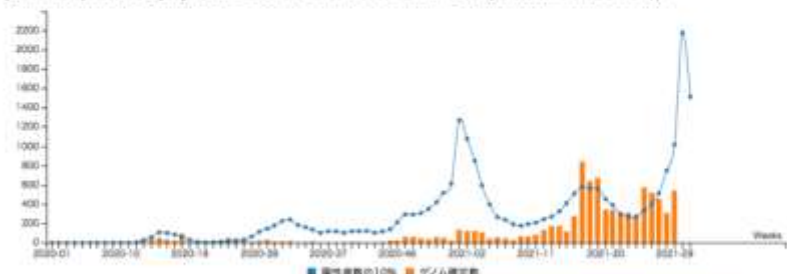
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Tokyo] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



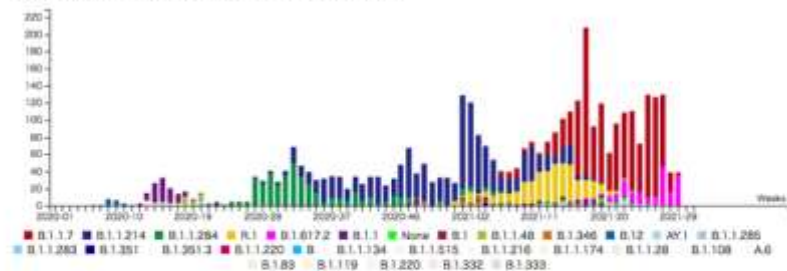
(陽性者数の計算について [集計元] | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

神奈川県

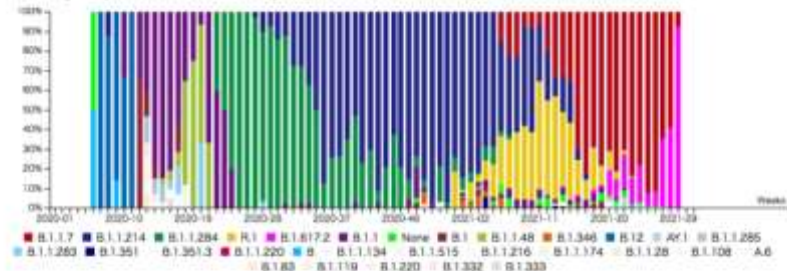
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

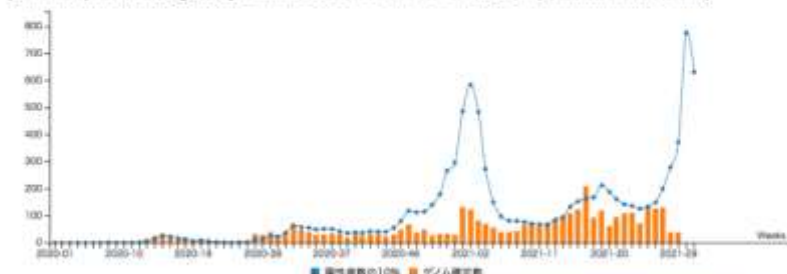
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kanagawa] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



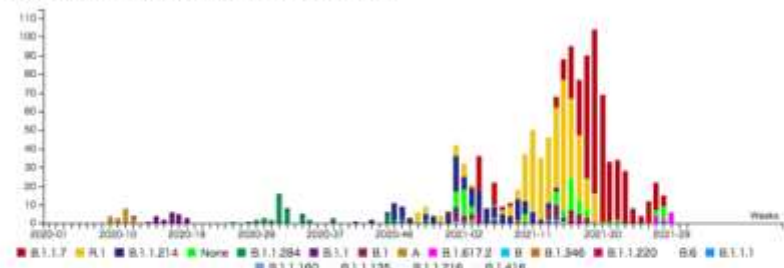
(陽性者数の計算について [集計元] | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

新潟県

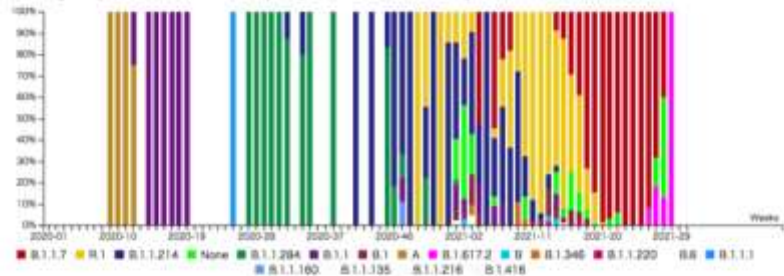
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

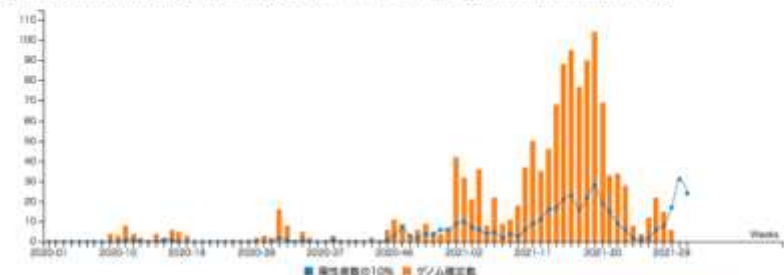
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Niigata] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



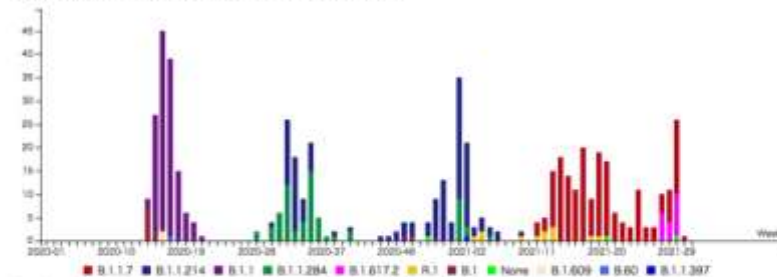
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報NAHまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>]

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

富山県

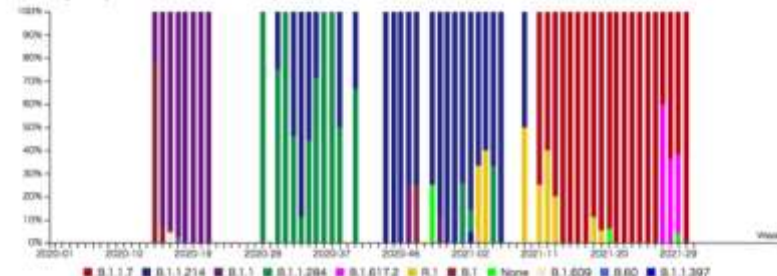
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

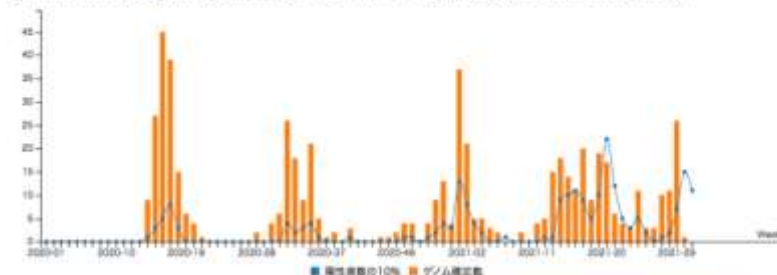
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Toyama] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



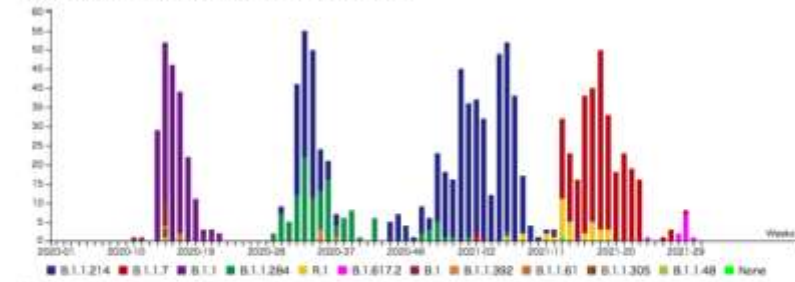
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報NAHまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>]

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

石川県

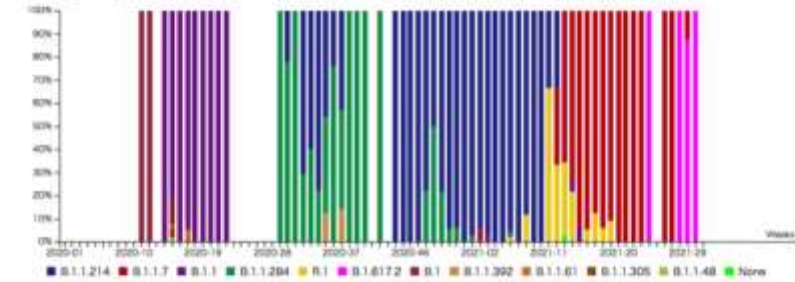
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

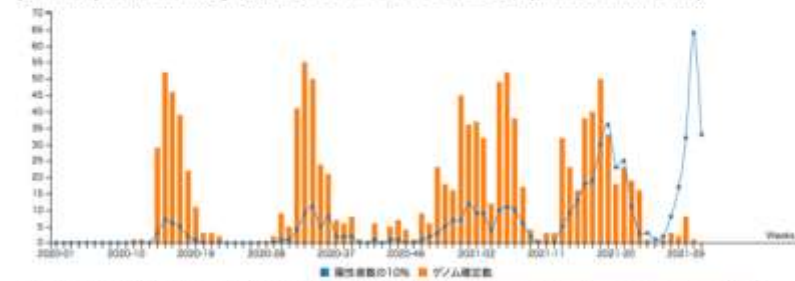
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Ishikawa] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



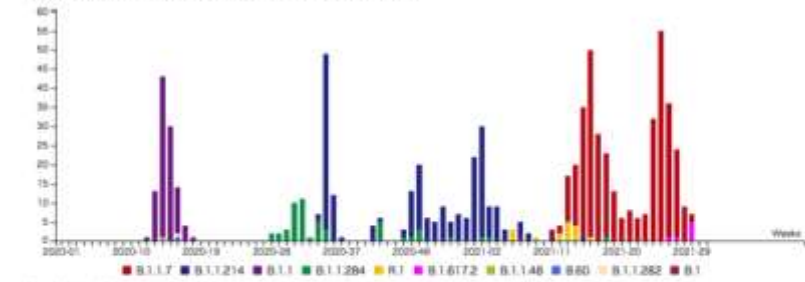
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報-NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

福井県

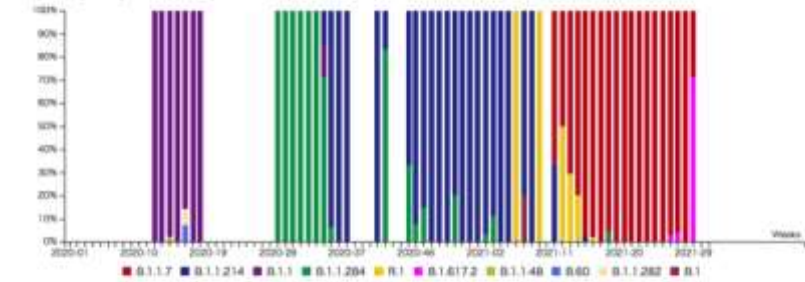
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

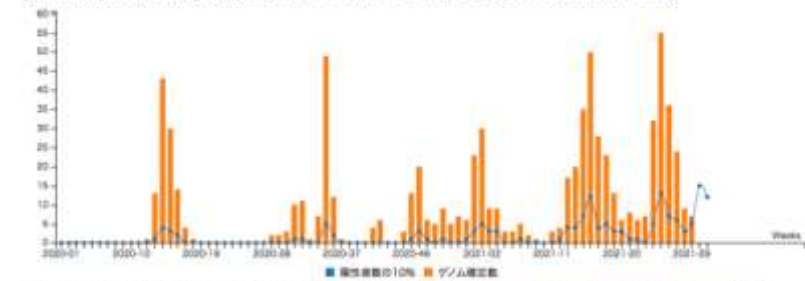
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Fukui] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



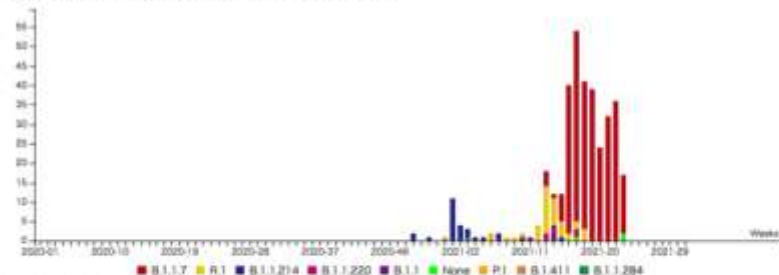
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報-NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

山梨県

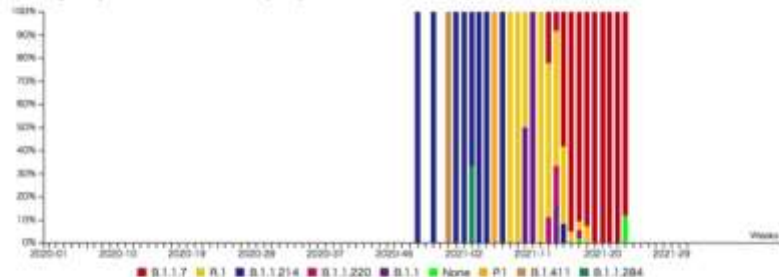
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

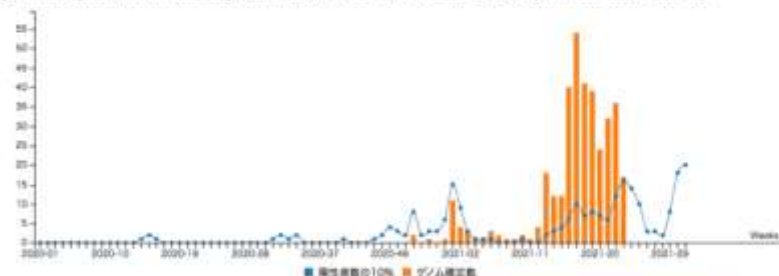
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Yamanashi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



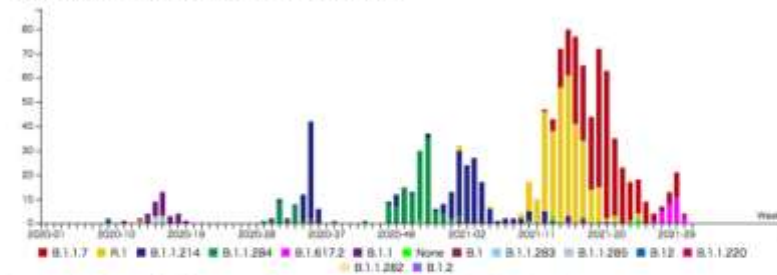
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報提供先] 情報提供先と各 (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

長野県

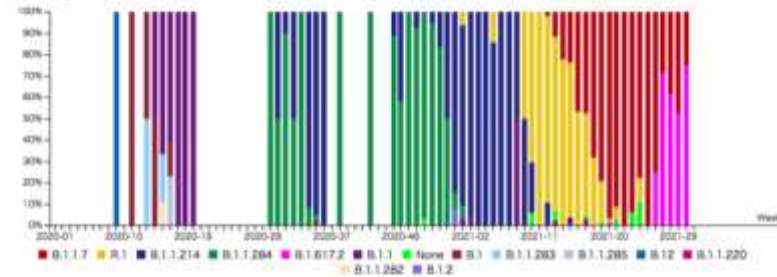
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

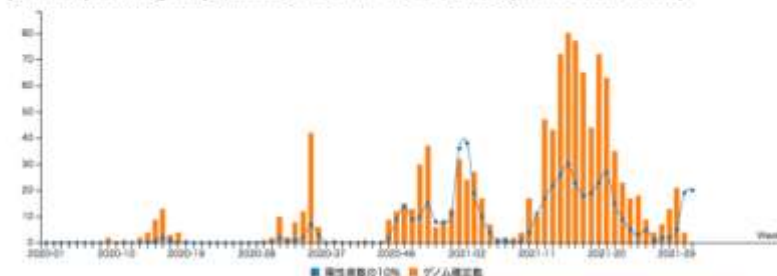
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Nagano] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



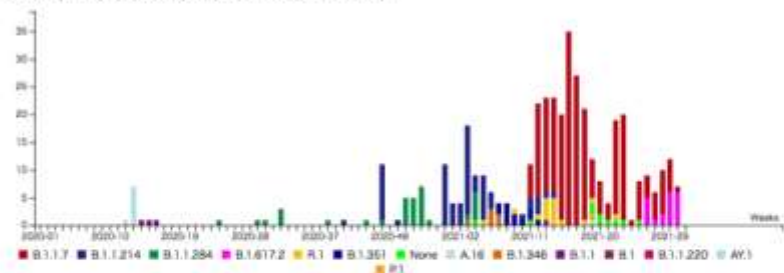
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報提供先] 情報提供先と各 (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

岐阜県

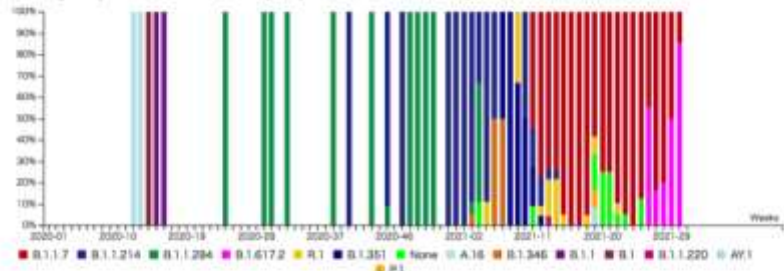
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

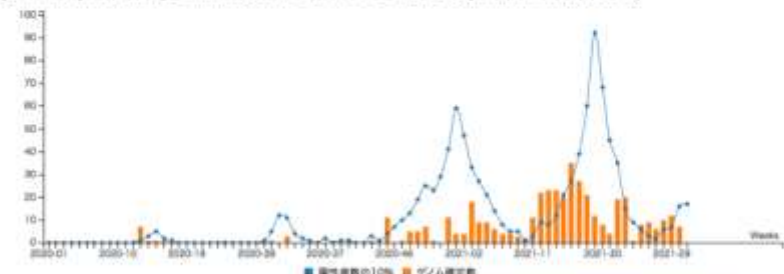
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Gifu] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



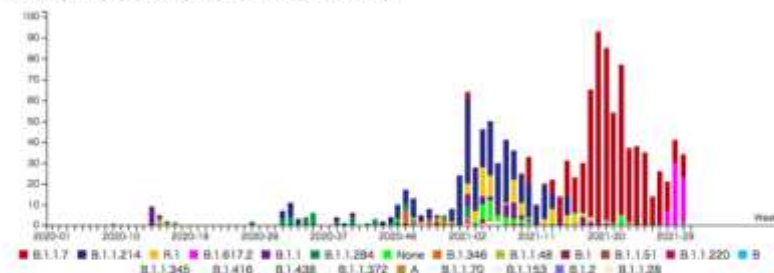
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

静岡県

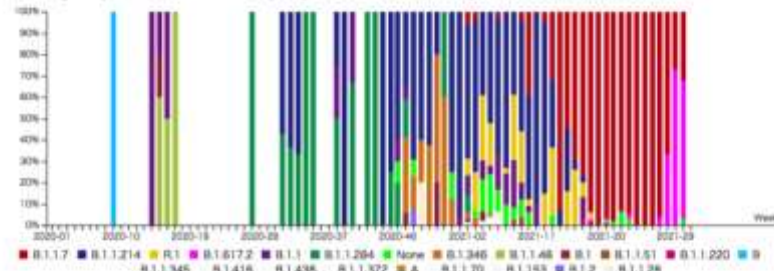
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

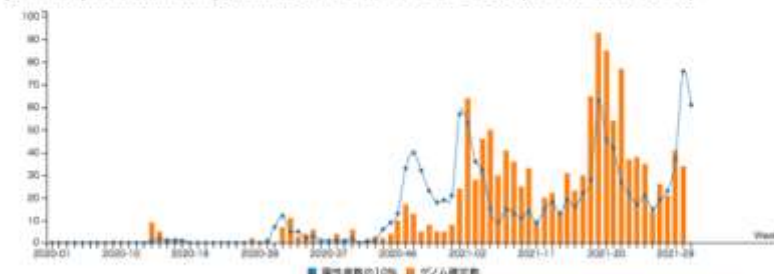
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Shizuoka] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



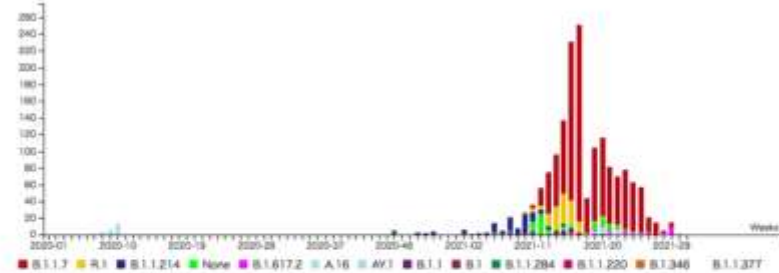
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

愛知県

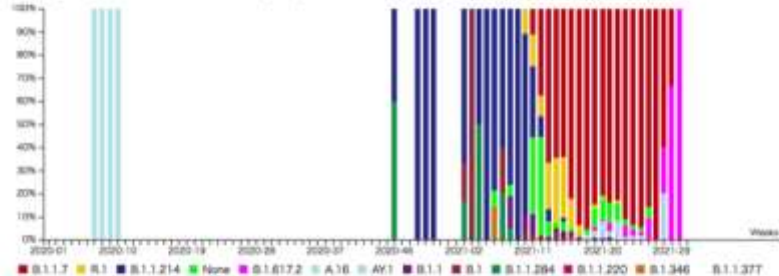
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

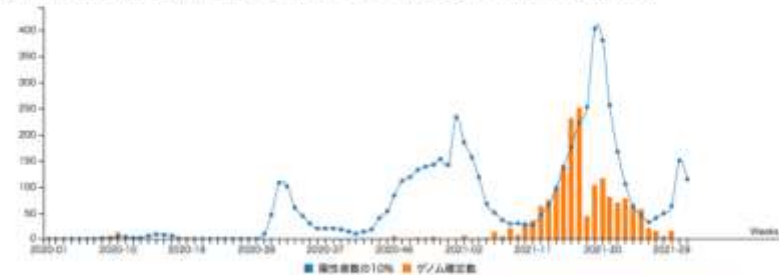
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Aichi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



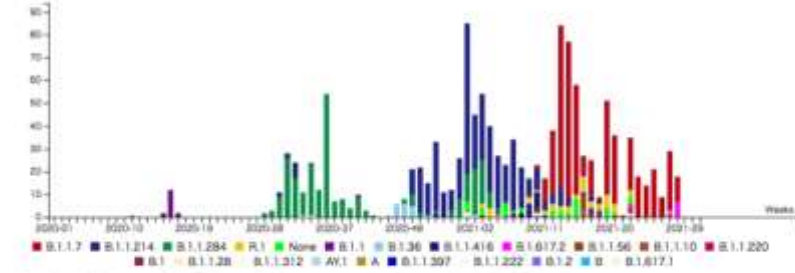
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報提供先] 都道府県別の感染者数より <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

三重県

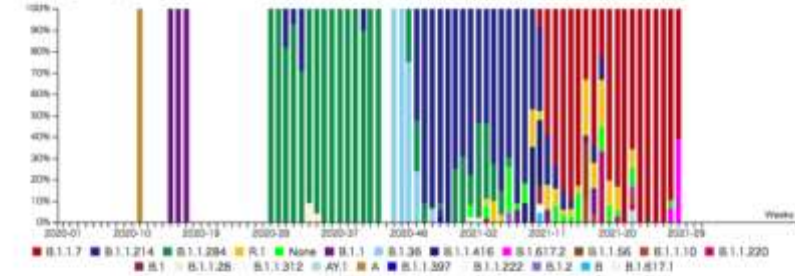
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

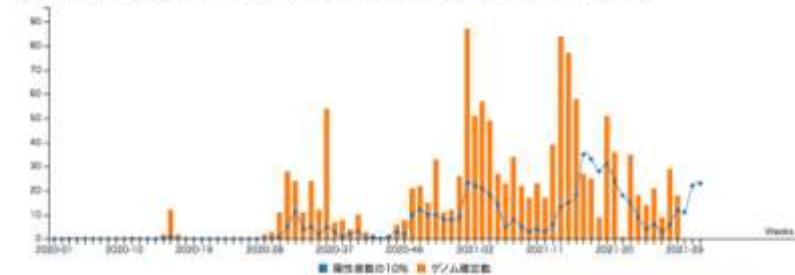
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Mie] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



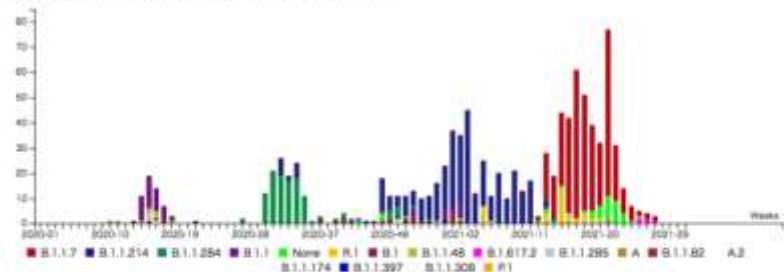
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報提供先] 都道府県別の感染者数より <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

滋賀県

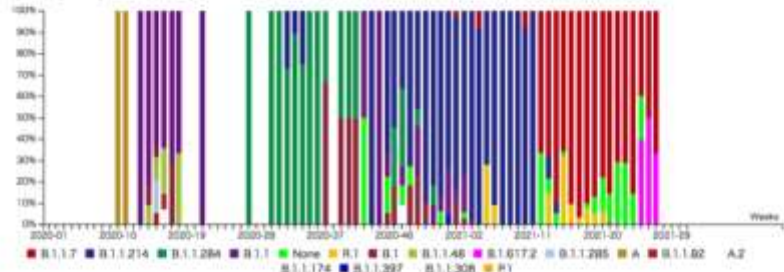
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

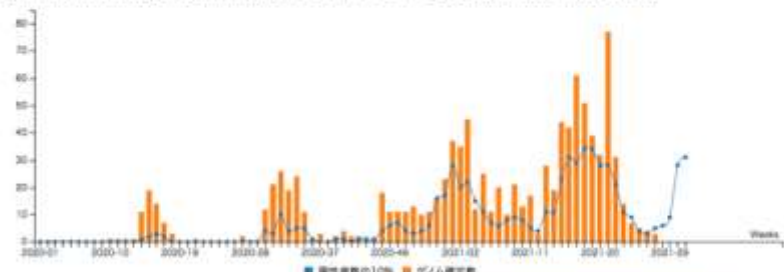
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Shiga] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



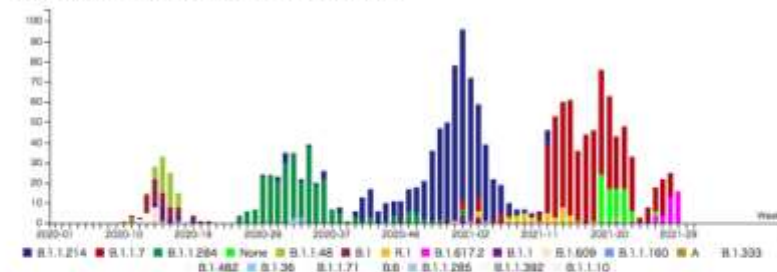
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症研での解析分、自治体での解析分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解析分の合計。

(いずれも感染症研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

京都府

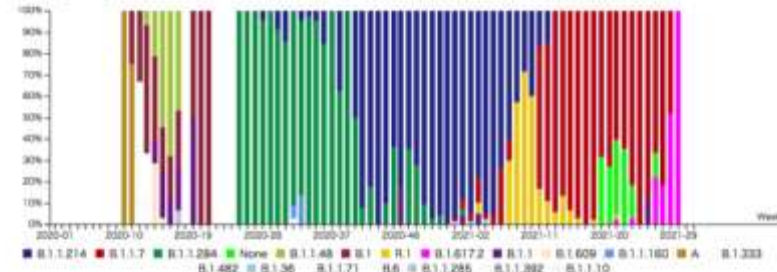
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

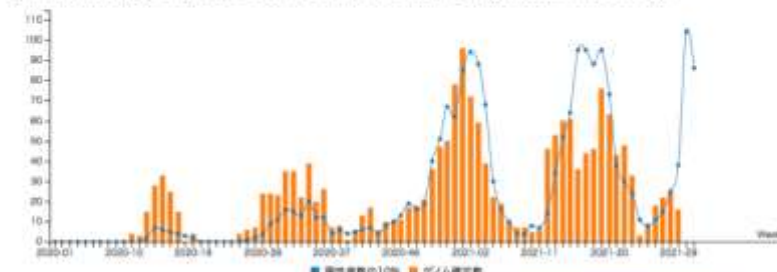
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kyoto] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



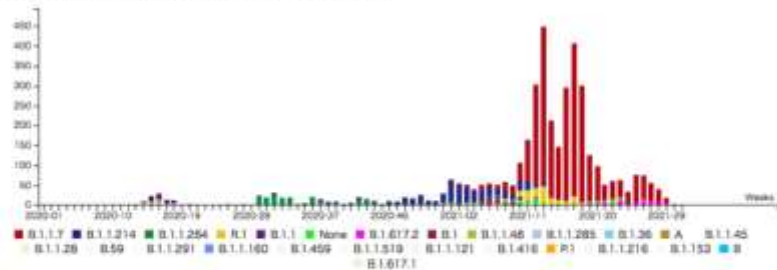
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症研での解析分、自治体での解析分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解析分の合計。

(いずれも感染症研ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

大阪府

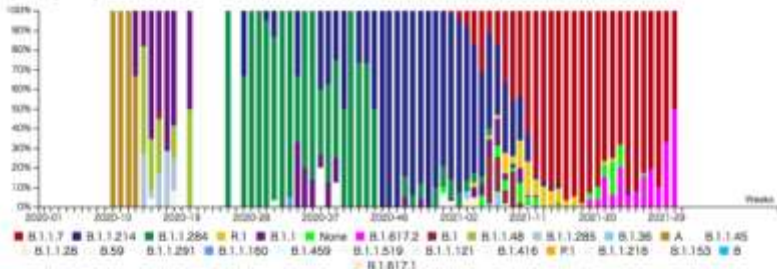
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

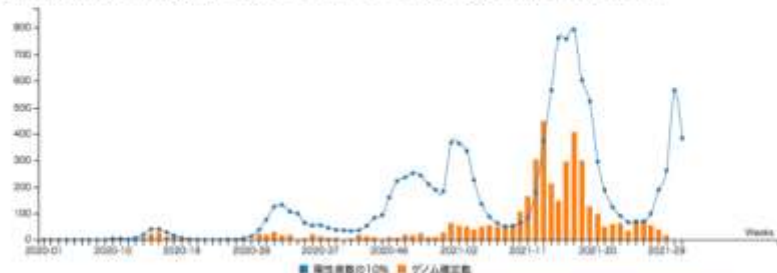
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Osaka] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



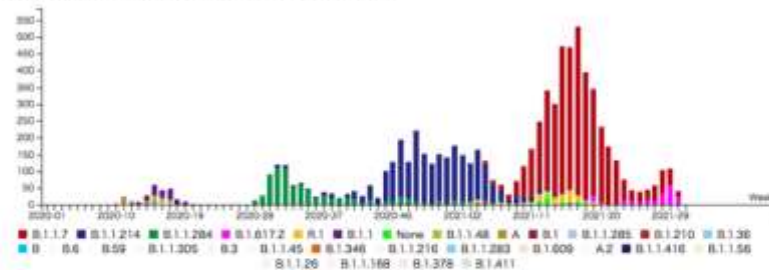
(陽性者数の計算について [集計元] 情報NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

兵庫県

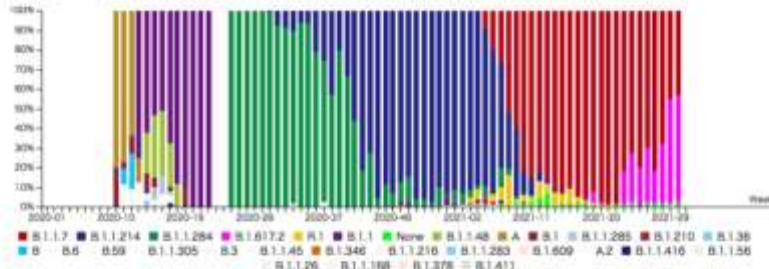
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

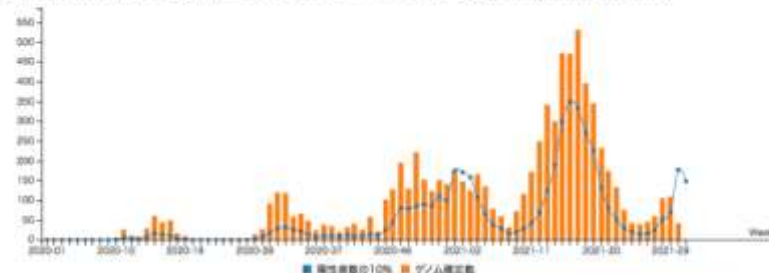
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Hyogo] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



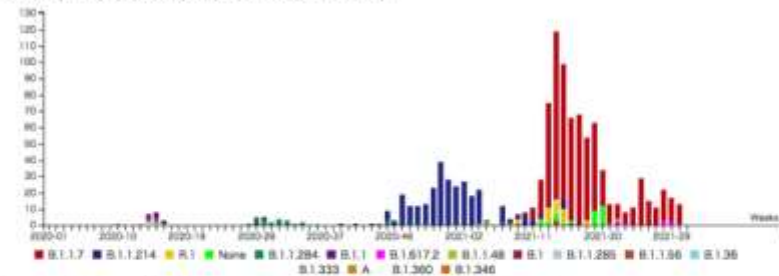
(陽性者数の計算について [集計元] 情報NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

奈良県

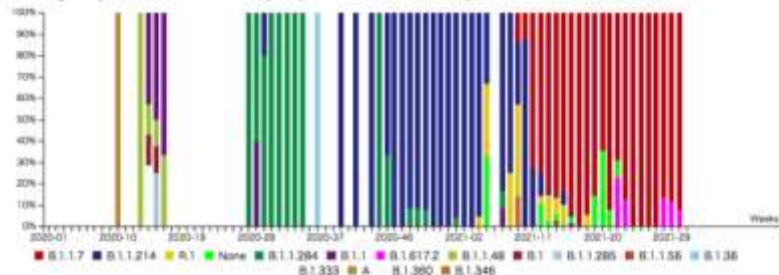
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

[ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象]

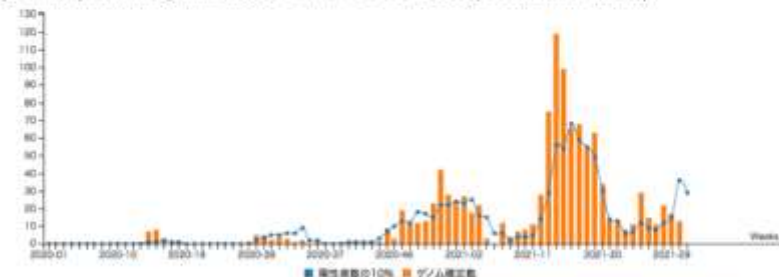
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

[ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象]

[Asia/Japan/Nara] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



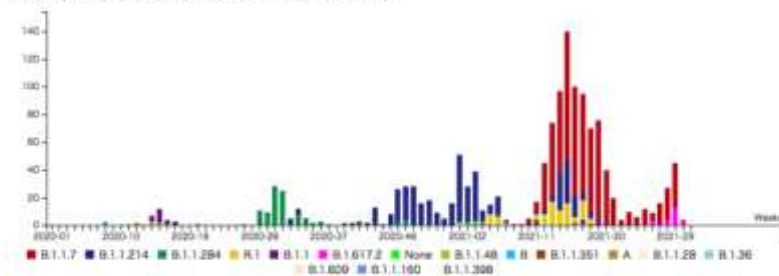
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>]

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

和歌山県

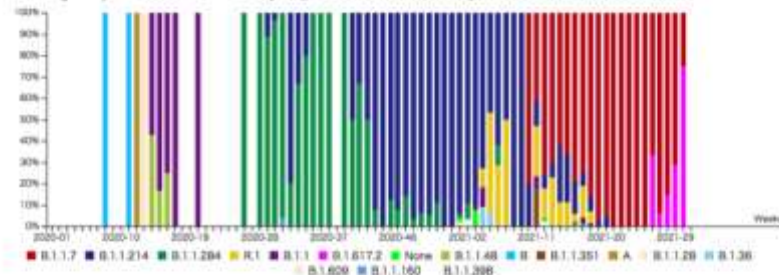
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

[ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象]

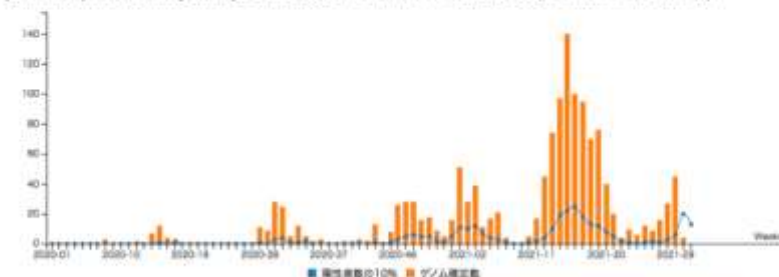
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

[ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象]

[Asia/Japan/Wakayama] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



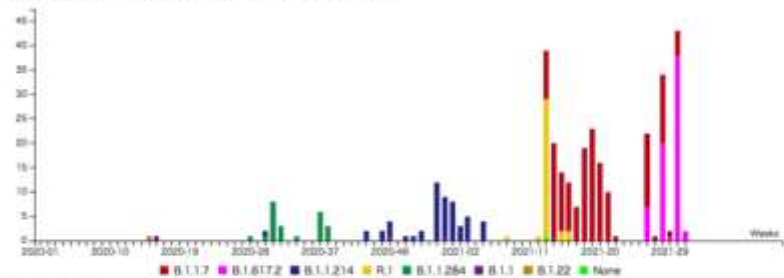
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>]

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

鳥取県

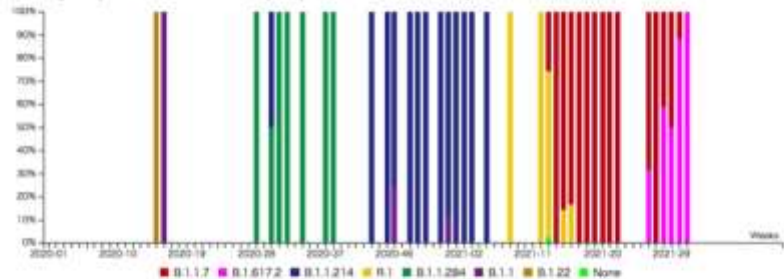
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

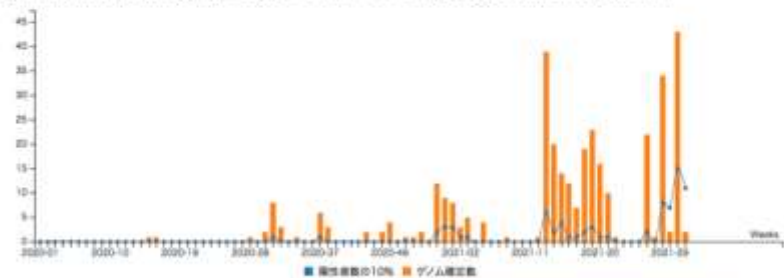
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Tottori] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



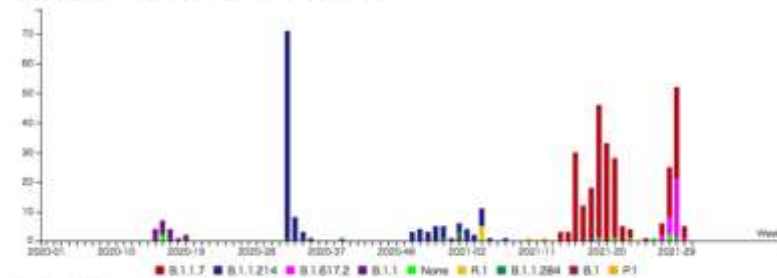
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

島根県

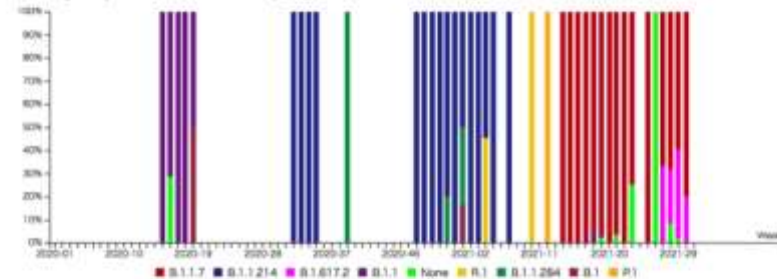
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

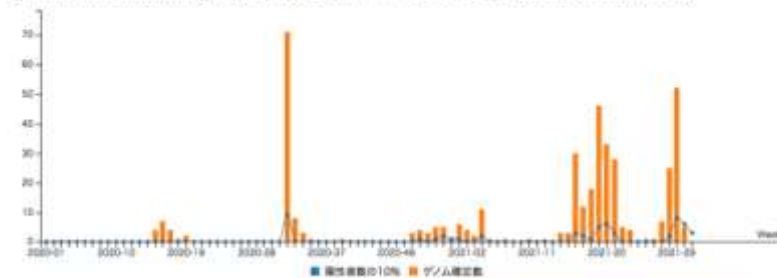
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Shimane] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



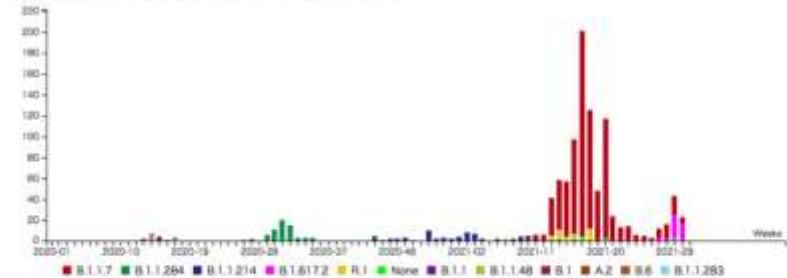
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

岡山県

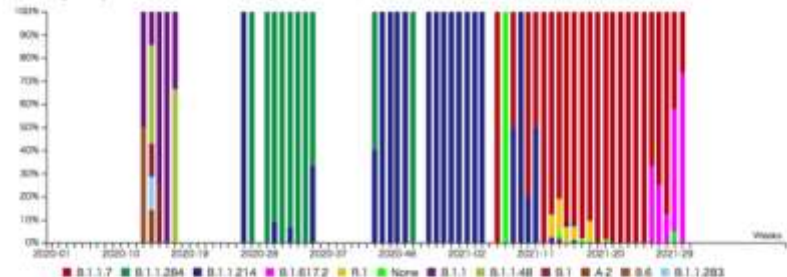
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

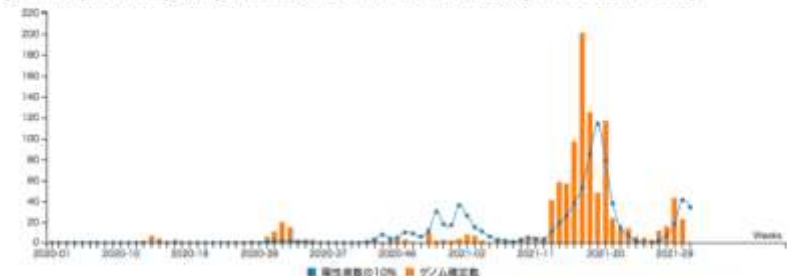
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Okayama] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



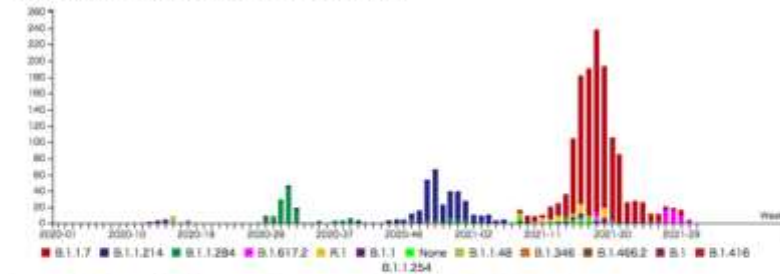
(陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

広島県

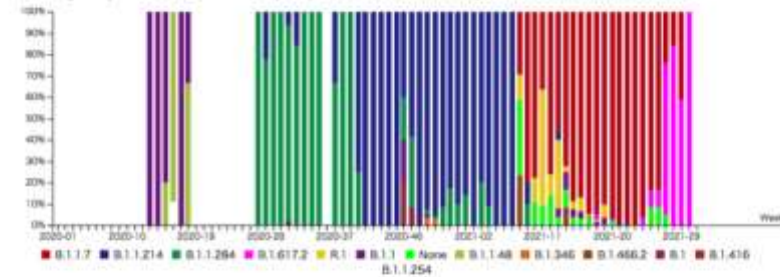
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

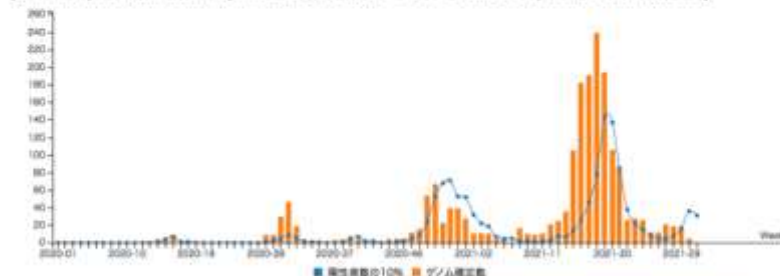
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Hiroshima] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



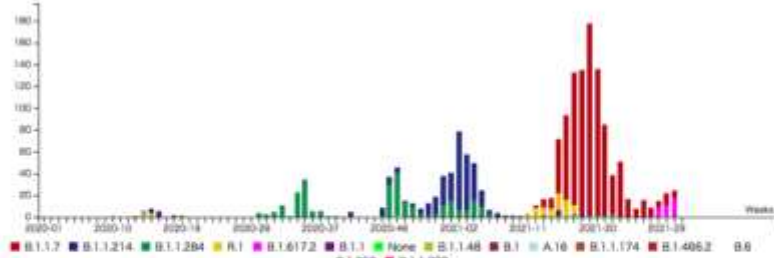
(陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

山口県

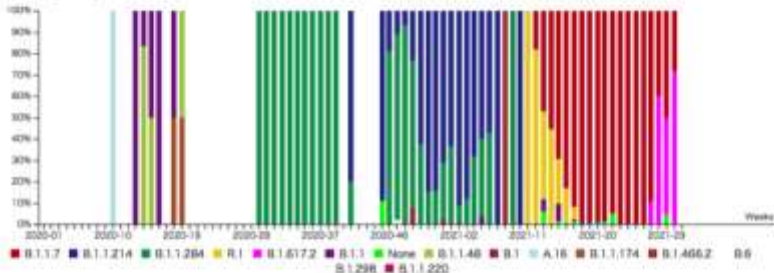
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

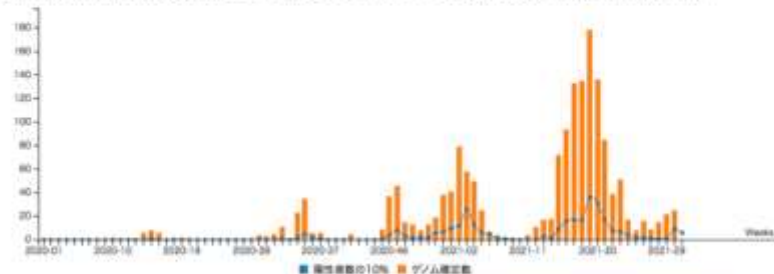
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Yamaguchi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



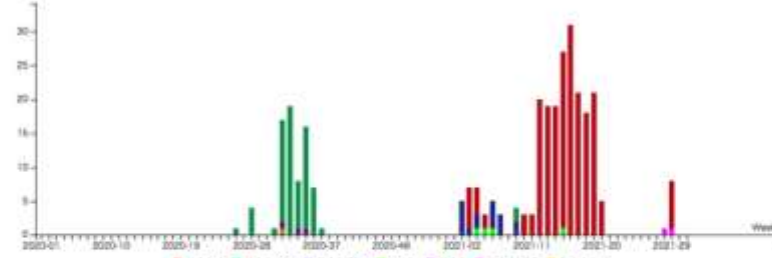
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

徳島県

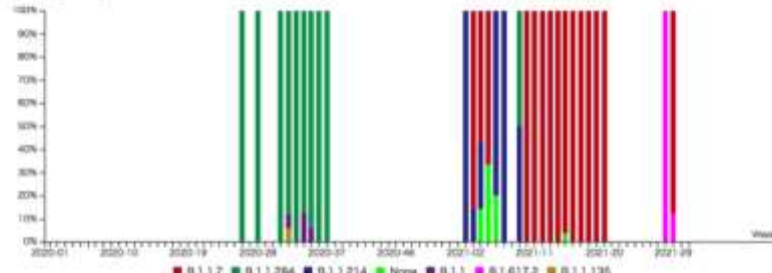
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

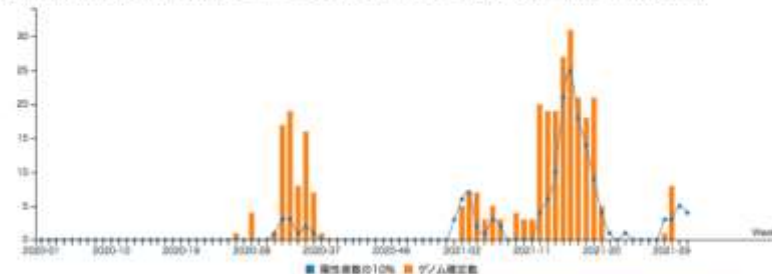
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Tokushima] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



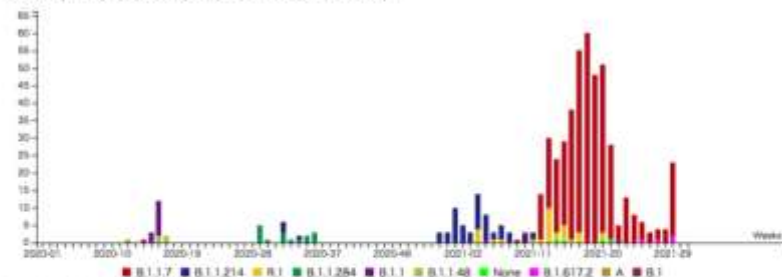
[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

香川県

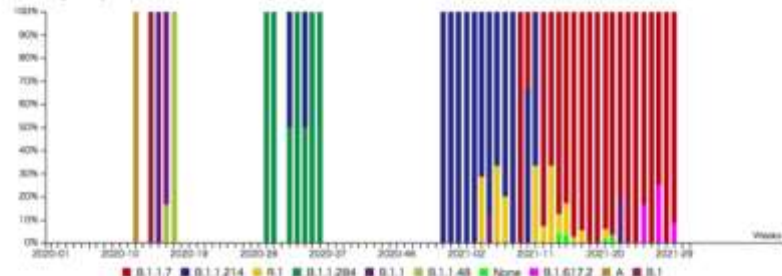
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

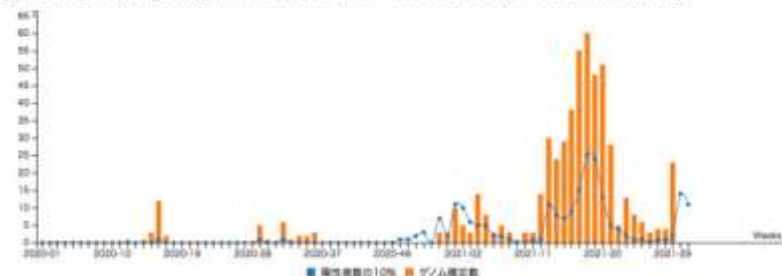
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kagawa] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



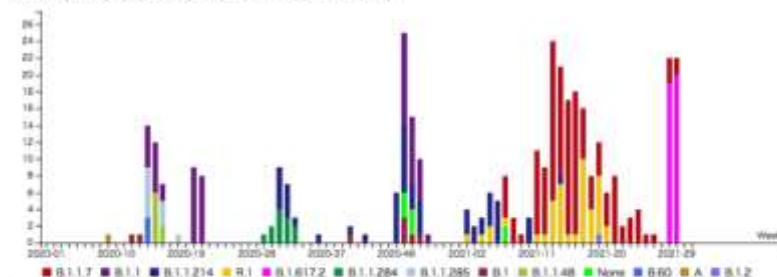
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報提供先まとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

愛媛県

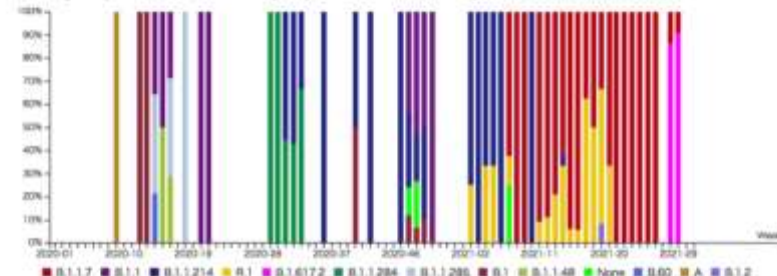
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

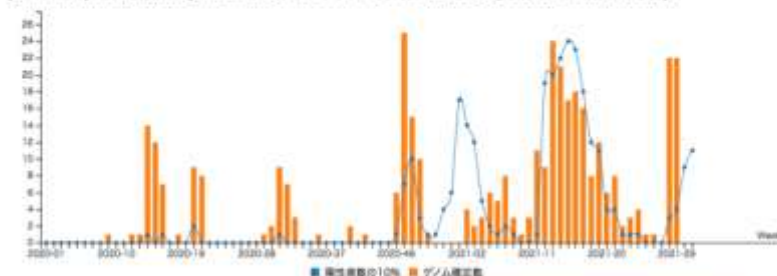
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Ehime] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



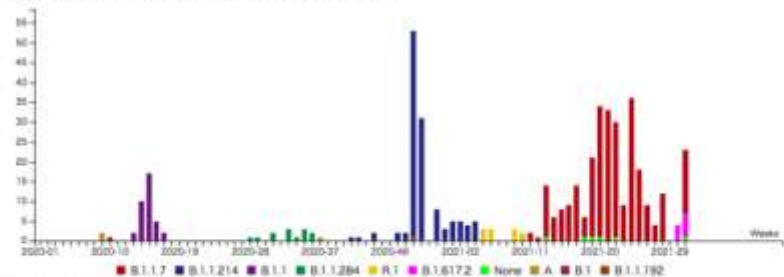
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報提供先まとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

高知県

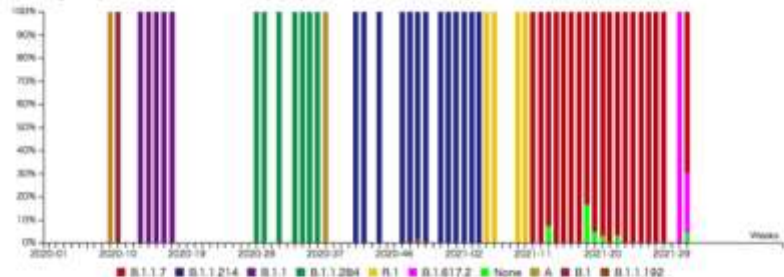
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

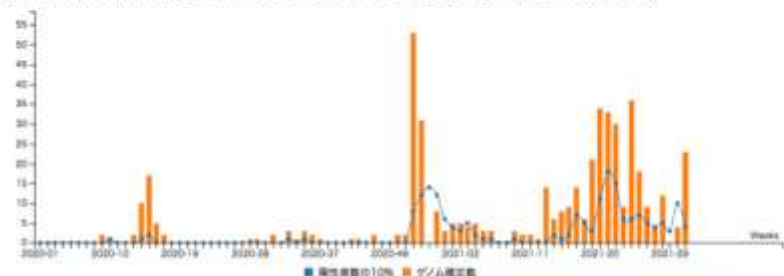
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kochi] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



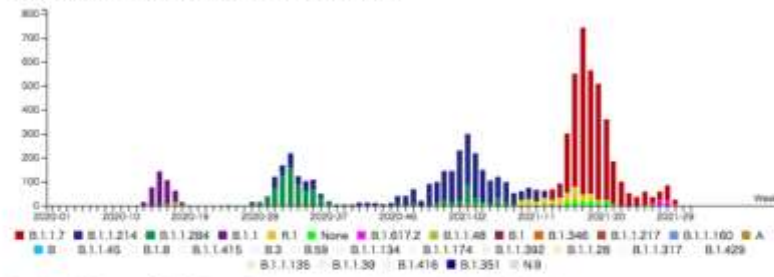
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

福岡県

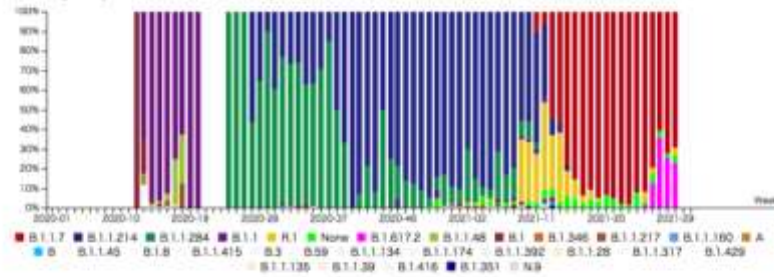
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

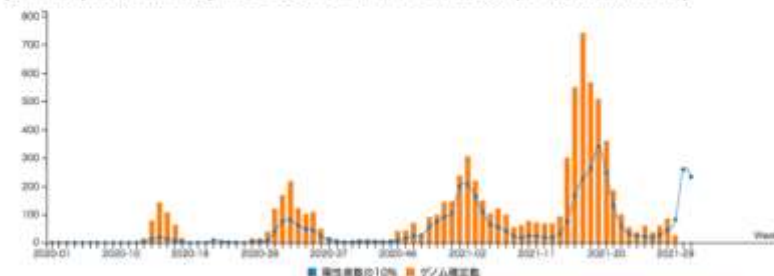
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Fukuoka] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



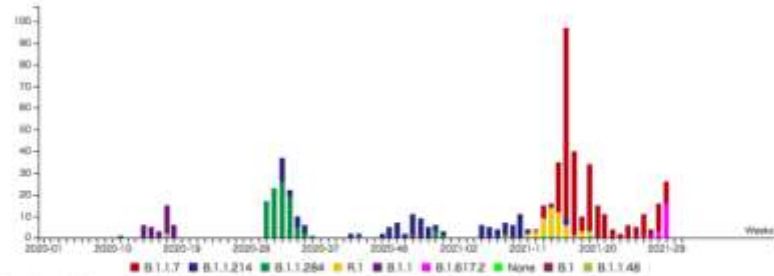
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

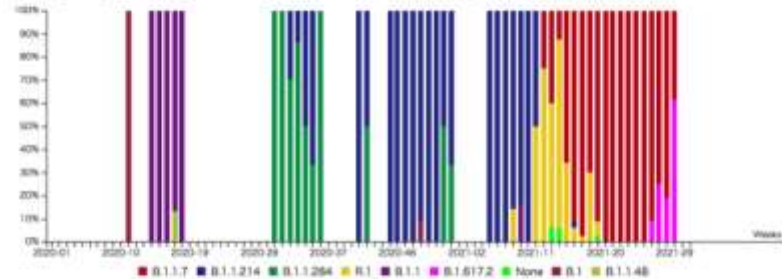
佐賀県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



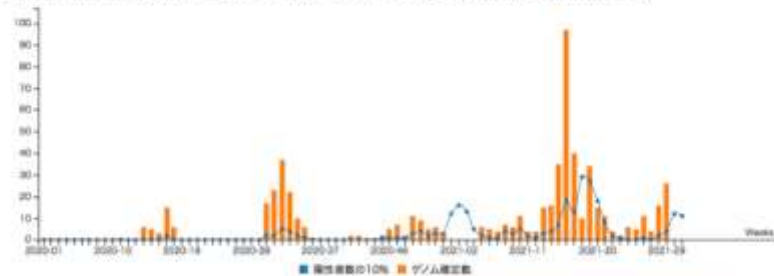
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

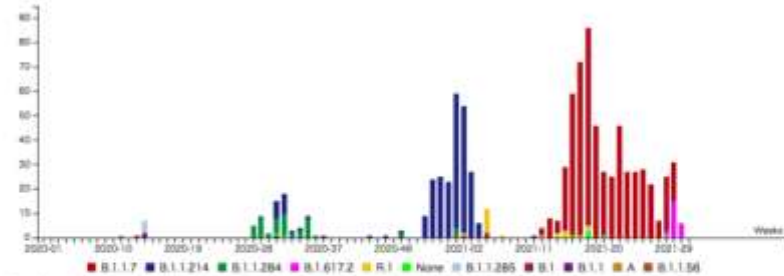
[Asia/Japan/Saga] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
 (いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

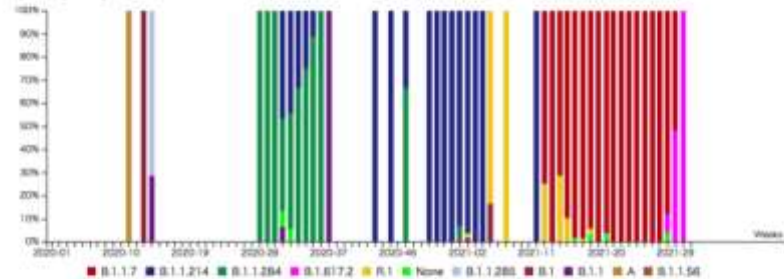
長崎県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



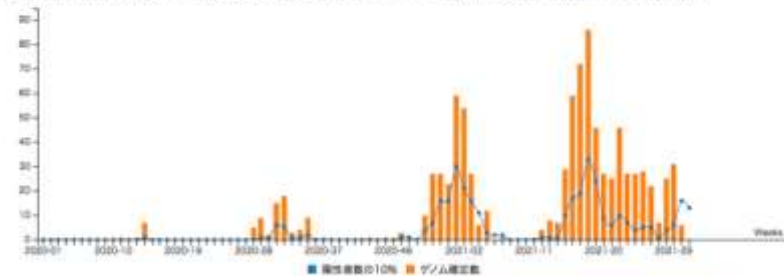
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

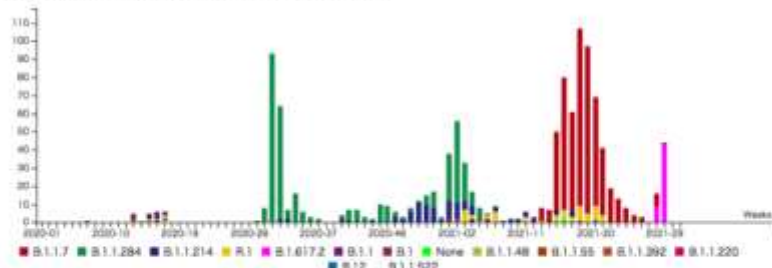
[Asia/Japan/Nagasaki] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
 (いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

熊本県

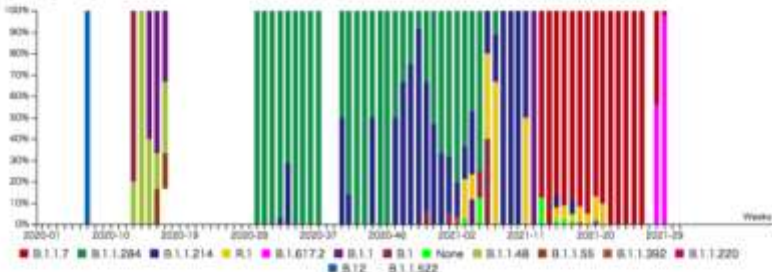
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Kumamoto] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



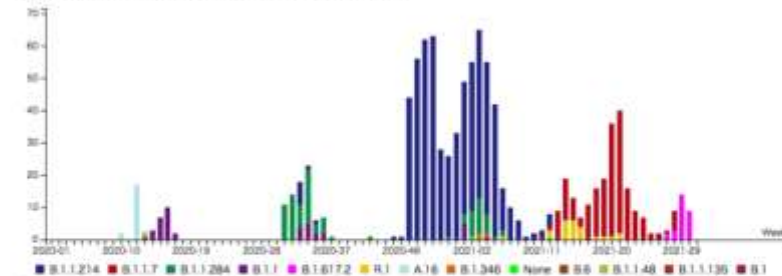
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

大分県

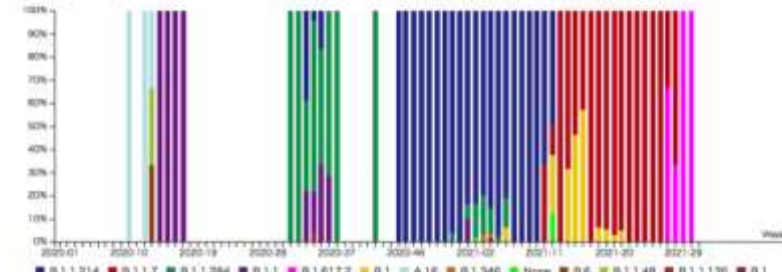
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

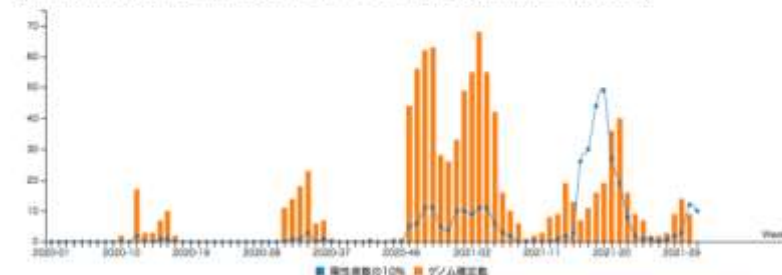
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Oita] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



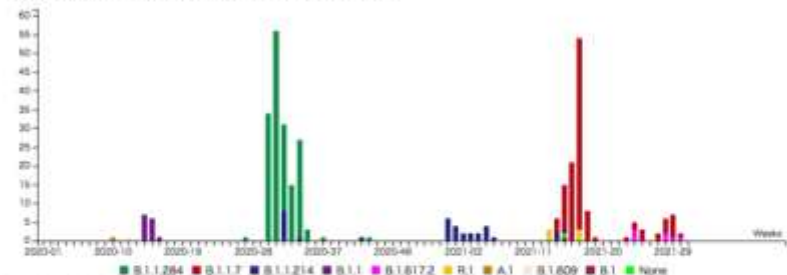
[陽性者数の計算について (集計元)] 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>

[ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

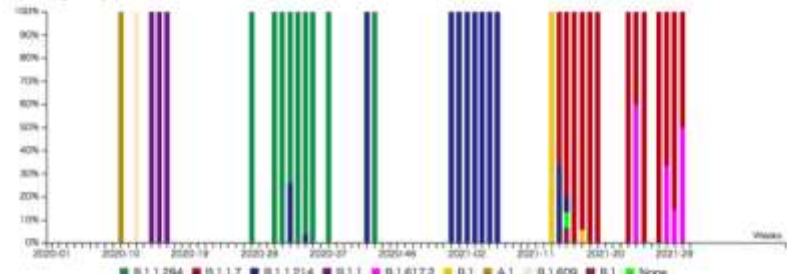
宮崎県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



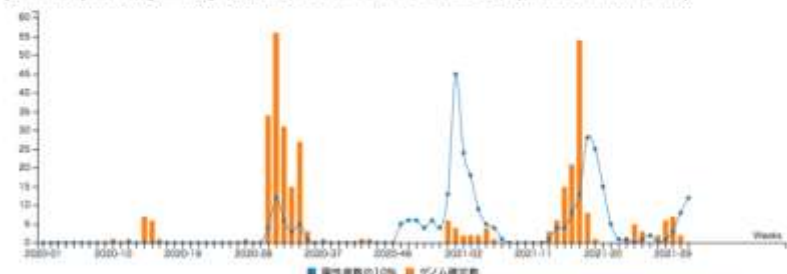
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

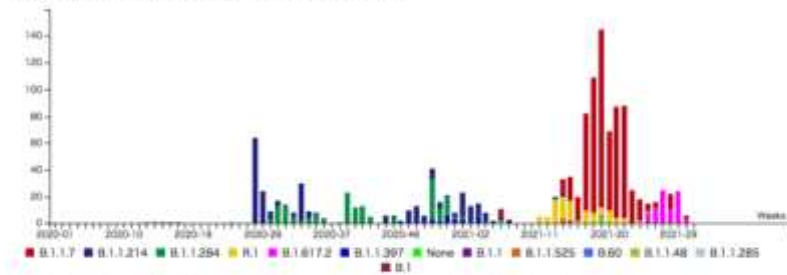
[Asia/Japan/Miyazaki] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
 (いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

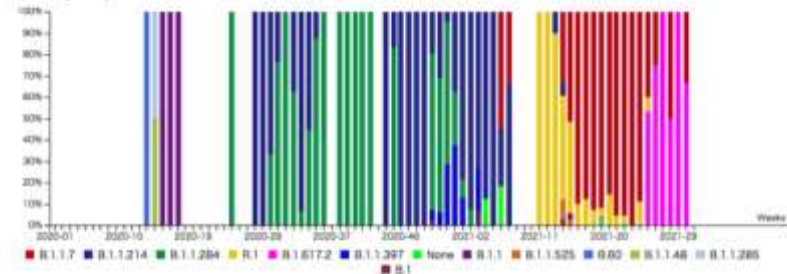
鹿児島県

Weekly Top 30 Graph (count each week)



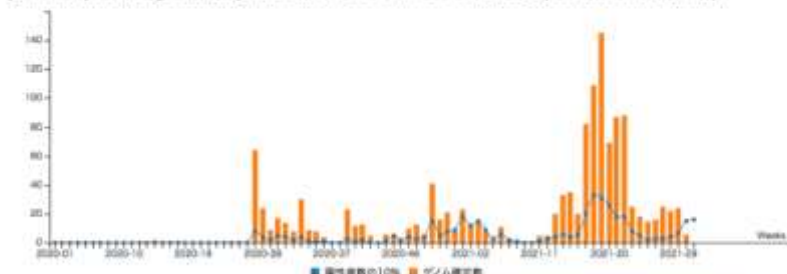
None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.
 (ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

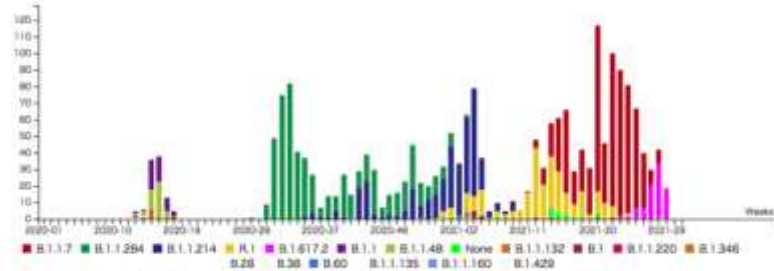
[Asia/Japan/Kagoshima] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



[陽性者数の計算について (集計元) | 情報: NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>
 [ゲノム確定数の計算] 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。
 (いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)

沖縄県

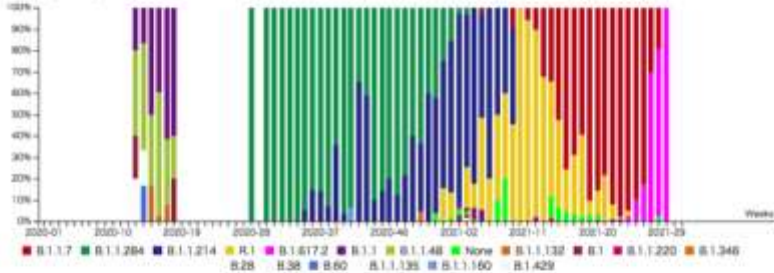
Weekly Top 30 Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

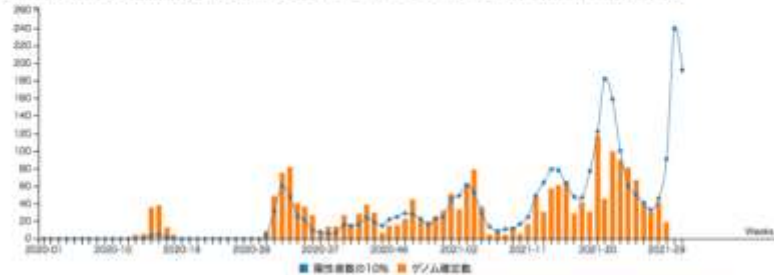
Weekly Top 30 Stacked Graph (count each week)



None: Not available correct PANGO lineage with low sequence quality because of low viral RNA load.

(ウイルス量が少なくゲノム情報が不十分であり正確に PANGO 系統を判定できない対象)

[Asia/Japan/Okinawa] 陽性者数の10% / ゲノム確定数 (count each week)



(陽性者数の計算について [集計元] 情報NHKまとめ (都道府県別の感染者数より) <https://www3.nhk.or.jp/news/special/coronavirus/data/>)

(ゲノム確定数の計算) 感染症での解説分、自治体での解説分 (地方衛生研究所)、民間検査会社での解説分の合計。

(いずれも感染症ゲノムセンター把握分を対象として集計実施)